

Supplementary Table 14 Comparison of number of proteins containing putative DNA binding domains		
Gene	PFAM accession	PFAM description
An16g06780, An08g03650, An13g02140, An09g01390, An05g00720, An11g09590, An09g00860, An16g06640, An02g00290, An12g00840, An14g06590, An02g12830, An14g06110, An15g02080, An06g01970, An09g03820, An03g00750, An04g00780, An14g00920, An11g02660, An02g08210, An07g07930, An14g01255, An14g01670, An01g12120, An02g08760, An11g08550, An09g03050, An06g00330, An11g00140, An07g01680, An11g05470, An08g08100, An11g03690, An18g01840, An12g03170, An16g08980, An05g01680, An03g05980, An04g08600, An02g09990, An07g01280, An08g08470, An15g04320, An16g01390, An13g03590, An03g02940, An15g06960, An12g02210, An08g09240, An11g05820, An03g05500, An01g07450, An11g04050, An04g09790, An04g06000, An12g03100, An06g02570, An12g02040, An16g00150, An12g01870, An12g06550, An08g06580, An01g11860, An16g01400, An12g09460, An04g06910, An09g05200, An03g06810, An03g04760, An11g00810, An09g04860, An14g05790, An11g06290, An05g00870, An15g04740, An04g07190, An15g05490, An07g06360, An12g00750, An16g02280, An08g10980, An08g03720, An16g01070,	PF04082	Fungal specific transcription factor domain

An11g05310, An11g01060, An01g15150, An18g02330, An14g02780, An03g06230, An09g00580, An12g10660, An05g01600, An02g14770, An09g02620, An04g00500, An11g05830, An02g01140, An02g00540, An04g10050, An16g00750, An12g07140, An04g04490, An18g01040, An09g05060, An06g02050, An09g05590, An03g06580, An09g02870, An02g13330, An15g02450, An01g07140, An15g04790, An01g11260, An01g03040, An16g01410, An01g08060, An11g03220, An03g00390, An01g13640, An12g02880, An01g11370, An16g05780, An05g02490, An11g07350, An18g00060, An13g00910, An02g10050, An11g02870, An02g07860, An01g13890, An12g06580, An12g01600, An18g03930, An09g00800, An11g03780, An12g01060, An07g00620, An08g09490, An12g07330, An03g01200, An08g10880, An07g00750, An15g05810, An02g13100, An03g02560, An16g00040, An07g09230, An02g00260, An13g03870, An15g04590, An14g01360, An01g10980, An01g10060, An15g04410, An03g01760, An16g00380, An18g03530, An01g09580, An01g09770, An07g07050, An02g11070, An04g07240, An12g05220, An03g06760, An02g06180, An05g00980, An14g07360, An07g00670, An01g02630, An14g01200, An01g08050, An12g02090, An08g04740,		
An16g08450, An16g07460, An10g00100, An08g01920, An09g06210, An16g00430, An01g12410, An10g01020, An11g06180, An12g01590, An11g00370, An09g01870, An12g10750, An12g03200, An01g00260, An01g06900, An07g08870, An12g01700, An02g11480, An11g03890, An01g14910, An08g07930, An04g08080, An14g04000, An16g01020, An08g04700, An16g02700, An01g13410, An16g04000, An13g01370, An08g03870, An06g02480, An08g11770, An17g00790, An06g00640, An15g05080, An09g01540, An11g10460, An16g01640, An11g08470, An01g01330, An19g00160, An15g04220, An03g00160, An11g07610, An08g09370, An02g01080, An08g07490, An03g06370, An11g08930, An09g00430		

An06g01180, An16g08980, An01g09770, An08g11770, An01g07445, An03g05850, An14g00920, An09g00430, An08g01460, An03g06760, An11g04010, An01g01330, An01g08060, An15g07220, An18g00860, An18g02330, An04g07400, An01g10980, An09g02870, An12g01700, An11g02150, An15g02620, An02g00290, An13g00690, An14g01200, An14g06270, An04g10050, An01g10280, An01g15150, An12g02880, An16g02700, An16g06200, An16g02920, An16g07460, An07g00050, An02g13330, An11g00370, An01g11310, An01g00260, An12g10110, An14g02410, An01g13890, An12g05200, An06g00830, An15g04790, An02g13200, An12g09580, An14g01490, An16g08130, An14g06940, An12g09020, An08g08110, An14g06110, An06g00640, An16g06530, An08g00030, An05g01600, An15g05080, An02g06180, An04g04690, An09g00860, An01g11260, An01g06900, An11g03780, An01g07140, An11g08910, An04g08620, An16g00040, An02g09990, An07g07050, An03g02000, An02g07550, An15g04400, An08g03770, An18g00060, An12g02400, An11g08830, An09g02620, An01g03400, An12g07140, An15g05840, An08g03870, An06g00730, An07g09230, An11g02690, An11g08550, An01g00190, An14g06590, An14g05670, An03g06230,	PF00172	Fungal Zn(2)-Cys(6) binuclear cluster domain
---	---------	--

An01g15070, An18g00110, An13g03030, An04g06910, An03g06080, An12g02210, An18g03530, An05g02600, An06g02570, An15g02080, An11g00290, An08g07490, An13g01420, An11g03890, An02g02690, An16g06650, An01g13640, An01g09580, An14g07360, An14g07040, An12g00840, An11g07350, An13g02040, An05g02490, An02g08620, An15g04740, An12g10750, An01g11620, An03g03350, An12g08510, An13g02300, An09g04060, An10g00100, An09g03600, An05g02020, An16g00150, An07g07930, An08g11000, An12g06070, An13g03230, An18g01040, An16g01390, An11g02870, An11g05380, An14g01970, An11g05310, An11g08930, An12g05270, An04g08080, An07g07640, An16g00750, An12g05830, An11g10870, An01g08050, An11g09160, An12g05220, An04g04490, An03g05900, An15g03720, An09g01540, An13g03820, An18g01770, An08g10880, An03g02140, An13g02140, An11g03690, An18g03930, An01g14020, An10g01020, An02g08760, An16g03290, An16g05780, An03g05340, An16g08450, An02g13290, An14g04720, An15g06980, An16g01020, An01g10060, An12g02040, An05g02610, An08g00710, An03g02940, An16g01110, An03g01760, An05g01340, An09g05060, An04g07240, An15g04320, An18g02280,		
---	--	--

An13g02400, An14g02780, An01g02050, An12g02090, An04g08040, An01g09530, An11g01060, An15g05810, An12g05490, An04g07190, An04g06290, An08g06580, An17g00790, An13g00730, An18g05600, An02g07170, An09g06210, An01g13410, An01g12410, An01g14910, An04g08600, An16g00430, An12g06580, An11g02660, An09g04980, An05g00020, An03g06580, An06g02050, An02g07860, An01g13080, An02g14490, An16g04000, An11g04710, An03g06510, An07g01690, An17g00650, An08g04740, An11g10460, An07g01380, An16g07890, An08g10980, An11g03630, An09g00500, An02g03420, An16g01640, An01g14350, An11g09590, An16g06780, An02g10850, An14g01255, An08g04700, An08g09620, An09g03510, An02g13700, An04g06940, An05g01830, An16g06640, An16g01070, An02g09780, An08g01920, An12g06190, An02g10050, An14g01670, An12g01060, An01g02630, An02g01140, An11g04160, An13g01580, An06g00330, An02g07950, An09g00580, An07g05640, An08g09240, An01g12120, An09g01200, An12g07690, An08g09560, An03g00160, An07g01680, An11g07610, An01g00690, An08g02760, An12g03170, An18g00320, An08g10210, An17g00800, An02g00540, An12g10620, An11g03220, An07g00670,		
An04g03070, An02g02320, An05g01040, An12g00830, An01g02150, An09g01870, An04g06640, An11g04050, An15g05100, An16g03840, An15g04590, An05g00720, An18g01840, An11g06180, An12g04970, An12g02350, An08g07710, An15g05310, An14g04000, An03g05500, An04g04080, An12g02490, An11g00810, An16g04530, An12g01050, An03g00750		

An03g00020, An07g03940, An12g03400, An18g04010, An01g13790, An04g03980, An16g06440, An08g09560, An08g06030, An08g07560, An12g09190, An15g00120, An03g01480, An04g05060, An01g02940, An02g02600, An01g11900, An01g04980, An17g01580, An07g05960, An01g04370, An18g01390, An17g01300, An16g08130, An04g06290, An18g05920, An04g06430, An16g01230, An08g12140, An02g03830, An01g13700, An15g06600, An16g08780, An08g09310, An02g07890, An02g05420, An01g12780, An08g01860, An18g02280, An12g05270, An12g05050, An04g09290, An12g08230, An12g06480, An03g04730, An04g01500, An16g03490, An07g01380, An01g10540, An03g06400, An08g02190, An13g00370, An02g07000, An01g14770, An02g06000, An01g00090, An16g02040, An05g02560, An16g06530, An09g01040, An08g06850, An07g01620, An04g06530, An01g09410, An16g08800, An08g02110	PF00096	Zinc finger, C2H2 type
An11g11070, An02g05190, An01g08600, An16g07230, An13g02370, An01g05350, An16g08700, An01g01060, An09g04140, An12g10480, An02g05690, An17g00850, An14g05330, An07g06750	PF00642	Zinc finger C-x8-C-x5-C-x3-H type (and similar)
An12g10230, An11g07980, An01g10770, An14g06250, An01g07900, An02g07070, An04g04510, An04g00480, An07g06050, An14g03010, An11g08600, An09g06280, An02g00870	PF00170	bZIP transcription factor
An02g13880, An11g09470, An01g04470, An07g07370, An02g13680, An03g02720, An16g01470, An15g00960, An01g04830, An07g10190, An18g04470, An07g02300, An02g05850	PF00249	Myb-like DNA-binding domain
An12g08800, An01g08710, An02g06570, An12g00470, An09g04940, An07g10270, An16g07560, An08g00930, An08g06790, An18g00210, An12g06420, An01g15080	PF00098	Zinc knuckle

An09g02220, An14g04860, An12g07880, An02g07230, An01g07600, An02g04290, An18g01170, An11g06950, An08g06070, An03g02640, An04g02640, An09g06150	PF00533	BRCA1 C Terminus (BRCT) domain
An04g03380, An14g00890, An02g09080, An17g01880, An01g05890, An01g03670, An04g03600, An12g00860, An08g08550, An17g01855, An01g00940	PF02178	AT hook motif
An08g04000, An15g03490, An02g11100, An01g13950, An09g06630, An03g04180, An02g04350, An08g01380, An14g02540, An03g05170	PF00010	Helix-loop-helix DNA-binding domain
An16g03130, An08g07600, An07g06000, An01g03650, An04g03110, An11g02400, An02g14980, An02g01880, An01g05630, An02g14080	PF01336	OB-fold nucleic acid binding domain
An02g11800, An13g00990, An17g00670, An15g00050, An15g02700, An04g01680, An16g04420, An04g08710, An02g05340, An04g01430	PF02037	SAP domain
An04g06690, An18g01390, An08g02580, An01g13790, An14g00520, An04g06950, An12g10520, An02g08260	PF00046	Homeobox domain
An14g05050, An15g03280, An07g06350, An14g03210, An15g03580, An03g04770, An13g00100, An02g07900	PF00498	FHA domain
An09g04940, An07g09460, An02g11380, An01g15080, An02g08710, An11g05300, An18g00210, An16g07560	PF05225	helix-turn-helix, Psq domain
An14g06470, An01g08210, An02g02240, An01g02370, An11g10820, An02g09610, An12g08960	PF00320	GATA zinc finger
An16g08820, An17g01410, An01g08160, An02g06600, An11g11080, An14g05810, An04g06140	PF00439	Bromodomain
An01g07830, An01g03560, An02g07400, An01g08580, An08g01840, An04g07650, An04g05820	PF00505	HMG (high mobility group) box

An01g08180, An07g06730, An02g11900, An02g03010, An02g04840, An12g08240, An11g11190	PF02463	RecF/RecN/SMC N terminal domain
An04g03050, An13g01060, An16g08110, An08g03470, An16g03520, An01g06260	PF00488	MutS domain V
An09g04640, An12g04720, An01g02720, An16g04890, An14g03710, An02g10260	PF00493	MCM2/3/5 family
An11g09870, An15g06910, An07g04730, An05g00200, An11g02370, An15g04690	PF01529	DHHC zinc finger domain
An17g02270, An16g03760, An02g07900, An17g02260, An07g07450	PF00250	Fork head domain
An18g02060, An02g00880, An01g11400, An15g04980, An12g07640	PF01753	MYND finger
An09g06520, An11g06980, An01g07390, An08g02500, An02g14390	PF02146	transcriptional regulator, Sir2 family
An02g02510, An15g07150, An11g09550, An16g03060	PF00136	DNA polymerase family B
An04g01210, An07g02890, An10g00440, An13g01310	PF00730	HhH-GPD superfamily base excision DNA repair protein
An12g03900, An02g12503, An18g04850, An11g09370	PF01096	Transcription factor S-II (TFIIS)
An04g03050, An16g08110, An16g03520, An13g01060	PF01624	MutS domain I
An16g03000, An01g13400, An01g07750, An18g03900	PF01920	KE2 family protein
An07g02270, An18g04580, An05g00480, An02g09740	PF02292	APSES domain
An07g02760, An07g05790, An16g06850, An01g05190	PF02854	MIF4G domain
An16g01760, An06g01690, An14g00330	PF00447	HSF-type DNA-binding domain

An16g09140, An08g09010, An08g07830	PF03178	CPSF A subunit region
An12g04690, An02g06880, An02g06890	PF04675	DNA ligase N terminus
An01g06260, An16g03520, An04g03050	PF05190	MutS family domain IV
An16g05190, An16g09130, An12g01840	PF05224	NDT80 / PhoG like DNA-binding family
An02g12210, An12g08730	PF00319	SRF-type transcription factor (DNA-binding and dimerisation domain)
An01g04700, An07g03760	PF00565	Staphylococcal nuclease homologue
An07g02890, An10g00440	PF00633	Helix-hairpin-helix motif
An09g05800, An02g07140	PF01388	ARID/BRIGHT DNA binding domain
An13g01240, An14g02130	PF01422	NF-X1 type zinc finger
An16g01800, An13g01240	PF01424	R3H domain
An12g01550, An02g08100	PF01997	Translin family
An15g02700, An07g05980	PF02735	Ku70/Ku80 beta-barrel domain
An07g07810, An15g00050	PF02891	MIZ zinc finger
An17g01410, An04g01920	PF07529	HAS
An14g03160, An02g13970	PF08265	YL1 nuclear protein C-terminal domain
An17g01370	PF00165	transcriptional regulator, araC family
An16g03940	PF00352	Transcription factor TFIID (or TATA-binding protein, TBP)
An03g03900	PF00436	Single-strand binding protein family

An11g02700	PF00649	Copper fist DNA binding domain
An07g05970	PF01035	6-O-methylguanine DNA methyltransferase, DNA binding domain
An01g03750	PF01285	TEA domain
An02g12390	PF01381	Helix-turn-helix
An11g11080	PF01426	BAH domain
An08g05200	PF01833	IPT/TIG domain
An11g09920	PF01984	Double-stranded DNA-binding domain
An15g03650	PF02045	CCAAT-binding transcription factor (CBF-B/NF-YA) subunit B
An17g01720	PF02257	RFX DNA-binding domain
An16g07120	PF02671	Paired amphipathic helix repeat
An12g01540	PF02755	RPEL repeat
An15g06450	PF02765	Telomere-binding protein alpha subunit, central domain
An04g08810	PF02791	DDT domain
An17g01370	PF02805	Metal binding domain of Ada
An01g04640	PF02919	Eukaryotic DNA topoisomerase I, DNA binding fragment
An07g05620	PF03126	Plus-3 domain
An01g11950	PF03871	RNA polymerase Rpb5, N-terminal domain
An08g07330	PF04152	Mre11 DNA-binding presumed domain
An09g06100	PF04406	Type IIB DNA topoisomerase
An11g10180	PF04769	Mating-type protein MAT alpha 1

An11g00570	PF04921	XAP5 protein
An03g03720	PF05181	XPA protein C-terminus
An02g13970	PF05764	YL1 nuclear protein
An16g06400	PF06420	Mitochondrial genome maintenance MGM101
An01g07220	PF06831	Formamidopyrimidine-DNA glycosylase H2TH domain
An09g06640	PF08221	RNA polymerase III subunit RPC82 helix-turn-helix domain