

Table 1A: RNA profiling of Chemokines in the laser microdissected SNpc of MPTP mice. (general neurodegenerative markers)

Gene Symbol	Ct-value Control	Ct-value 2 days	days after MPTP (acute)							
			2 days	4 days	7 days					
			fold change (RNA/qPCR)							
expression of dopaminergic and gliosis marker										
Th	13,3	14,9	-1,8	-1,5	-1,6					
Gfap	18,3	13,2	59,2	51,5	85,1					
Mhc-II	25,6	21,0	33,6	27,8	42,6					
Cd68	21,7	17,7	27,2	33,4	41,0					

Table 1B: RNA profiling of Chemokines in the laser microdissected SNpc of MPTP mice. (chemokine ligands and receptors)

Gene Symbol	Receptor	Ct-value Control	Ct-value 2 days	days after MPTP (acute)			Gene Symbol	Ct-value Control	Ct-value 2 days	days after MPTP (acute)		
				2 days	4 days	7 days				2 days	4 days	7 days
				fold change (RNA/qPCR)						fold change (RNA/qPCR)		
Chemokine Ligand expression:						expression of the main corresponding Chemokine Receptors:						
<i>(Profiles correspond to Ligands only)</i>												
Profile A - Early Peak Induction:												
CCL2 (MCP-1)	CCR2	27,5	20,8	192,7	12,2	8,4	CCR2	29,4	24,8	37,7	15,8	12,9
CCL7 (MCP-3)	CCR2/3	28,3	24,7	29,6	5,2	3,1	CCR2	29,4	24,8	37,7	15,8	12,9
CCL12 (MCP-5)	CCR2	25,1	17,7	300,1	19,7	13,8	CCR2	29,4	24,8	37,7	15,8	12,9
CCL3 (MIP-1a)	CCR5/1	26,2	18,1	463,3	134,0	185,8	CCR5	24,4	23,3	3,6	4,9	4,6
CCL4 (MIP-1b)	CCR5	28,8	18,7	1419,3	181,4	176,9	CCR1	27,5	25,0	9,8	5,4	3,9
CXCL10 (IP-10)	CXCR3	28,3	16,6	4814,2	616,1	289,8	CXCR3	27,0	23,8	15,5	14,1	21,2
CXCL11 (I-TAC)	CXCR3	30,9	25,0	157,4	17,4	11,3	CXCR3	27,0	23,8	15,5	14,1	21,2
CCL8 (MCP-2)	CCR1/2/3/5	29,1	25,0	19,5	8,0	3,6	CCR1	27,5	25,0	9,8	5,4	3,9
CCL22 (MDC)	CCR4	28,5	27,4	3,7	1,7	1,9	CCR4	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
CXCL2 (GROb)	CXCR2	33,7	28,8	32,8	24,7	1,7	CXCR2	28,0	27,1	-7,9	-3,7	-5,6
Profile B - Persistent Upregulation:												
CXCL9 (MIG)	CXCR3	Abs	23,7	108,6	192,6	131,7	CXCR3	27,0	23,8	15,5	14,1	21,2
CXCL4 (PF4)	CXCR3 *	26,0	25,3	2,8	2,8	3,1	CXCR3	27,0	23,8	15,5	14,1	21,2
CXCL16 (SR-PSOX)	CXCR6	24,6	19,0	76,2	44,4	59,6	CXCR6	31,1	26,1	35,4	30,0	58,0
CXCL14 (BRAK)	unknown	17,1	16,7	2,3	1,9	2,2	--	--	--	--	--	--
CCL9 (MIP-1g)	CCR1 *	24,3	20,7	19,7	16,6	26,1	CCR1	27,5	25,0	9,8	5,4	3,9
CCL5 (RANTES)	CCR5/3/1	27,6	20,9	162,9	165,0	228,2	CCR5	24,4	23,3	3,6	4,9	4,6
CCL11 (EOTAXIN)	CCR3	26,4	25,6	2,8	2,1	2,0	CCR3	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
CCL19 (MIP-3b)	CCR7	25,4	25,2	2,0	1,8	2,1	CCR7	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
CXCL5/6 (ENA-78/GCP-2)	CXCR2/1	26,6	26,1	2,3	3,9	3,3	CXCR2	28,0	27,1	-7,9	-3,7	-5,6
CXCL1 (GROa)	CXCR2	29,2	28,6	2,4	2,4	2,3	CXCR2	28,0	27,1	-7,9	-3,7	-5,6
Profile C - Late Upregulation:												
CCL6 (MRP-1)	CCR5 *	23,3	20,4	13,1	21,2	40,2	CCR5	24,4	23,3	3,6	4,9	4,6
xCLI (LYMPHOTACTIN)	XCRI	33,6	28,6	27,6	40,6	62,1	xCRI	Abs	29,4	26,9	nc	3,6
Profile D - Downregulation:												
CCL28 (MEC)	CCR10/3	23,8	25,4	-1,8	-1,5	-1,6	CCR10	28,0	28,6	nc	nc	nc
CCL20 (MIP-3a)	CCR6	25,4	27,0	-1,8	-2,1	-2,0	CCR6	29,8	29,5	2,6	5,5	9,2
CCL17 (TARC)	CCR4	28,9	29,0	nc	nc	-2,1	CCR4	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
CXCL13 (BCA-1)	CXCR5	23,9	24,8	nc	nc	-1,9	CXCR5	Abs	33,0	12,5	nc	8,0
mixed regulation:												
CCL24 (EOTAXIN-2)	CCR3	27,4	28,8	-1,6	1,5	1,7	CCR3	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
not changed:												
CCL21 (TCA-4)	CCR7/6	26,2	26,8	nc	nc	nc	CCR7	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
CCL25 (TECK)	CCR9	21,0	21,5	nc	nc	nc	CCR9	27,4	27,5	1,5	1,5	1,6
CCL27a (ESKINE)	CCR10	18,1	18,9	nc	nc	nc	CCR10	28,0	28,6	nc	nc	-1,3
CXCL3 (GROg)	CXCR2	29,9	29,8	nc	nc	nc	CXCR2	28,0	27,1	-7,9	-3,7	-5,6
CXCL7 (PPBP/NAP-2)	CXCR2	24,6	25,1	nc	nc	nc	CXCR2	28,0	27,1	-7,9	-3,7	-5,6
CXCL12 (SDF-1)	CXCR4	21,8	22,2	nc	nc	nc	CXCR4	24,9	24,4	2,3	5,2	9,6
CX3CL1 (FRAKTALKINE)	CX3CR1	16,5	17,1	nc	nc	nc	CX3CR1	18,9	17,2	5,8	6,1	9,5
CCL1 (TCA-3)	CCR8	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs	CCR8	Abs	32,5	6,7	nc	28,0
CCL26 (EOTAXIN-3)	CCR3	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs	CCR3	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
CXCL17	CXCR8	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs	CXCR8	ND	ND	ND	ND	ND
Decoy Chemokine Receptors												
DARC		23,6	23,5	1,9	1,7	nc						
D6		27,4	27,5	nc	1,6	nc						
CCX-CKR		Abs	Abs	Abs	Abs	Abs						

Table 1C: RNA profiling of Chemokines in the laser microdissected SNpc of MPTP mice.
(additional inflammation related genes implicated in neuro-glia-immune interactions)

Gene Symbol	Ct-value Control	Ct-value 2 days	days after MPTP (acute)		
			2 days	4 days	7 days
			fold change (RNA/qPCR)		
expression of general inflammatory genes					
Markers of glial reactivity					
B2m	17,8	15,9	6,0	8,1	8,4
Cd11c	29,3	23,6	83,9	103,8	728,6
Cd68	21,7	17,7	27,2	33,4	41,0
Gfap	18,3	13,2	59,2	51,5	85,1
Lilrb3	27,1	24,8	8,8	11,4	10,6
Mhc-II	25,6	21,0	33,6	27,8	42,6
Lymphocyte markers					
Cd3e	32,3	26,6	60,9	58,1	112,9
Foxp3	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
Il17a	Abs	Abs	Abs	Abs	Abs
Rorc	23,6	23,9	nc	3,8	5,3
Tbx21	20,2	19,2	22,0	28,4	38,4
Inflammatory/adhesion molecules					
Il1b	30,1	29,3	1,8	2,0	2,5
Icam1	27,5	24,4	14,9	9,0	15,5
Itgae	22,7	23,9	nc	-1,6	-2,3
Itgb2	22,7	19,2	19,0	19,7	28,6
Madcam1	30,6	28,4	7,5	17,4	102,4
Selp	Abs	Abs	nc	nc	nc
Selp1g	18,9	17,4	4,8	5,7	5,9
Timp1	29,7	19,2	2518,0	225,8	215,7
Vcam1	20,2	19,2	3,4	3,1	3,3
Potential neuronal stress markers					
Cd200	17,0	18,0	nc	nc	nc
Cd200R1	27,5	25,1	9,2	8,8	16,4
Cd22	28,4	24,0	32,8	103,6	196,6
Cd44	25,2	20,1	70,9	22,1	26,8
Cd47	16,2	17,0	nc	nc	nc
Hspd1	20,5	21,1	nc	nc	nc
Mhc-I	20,0	17,5	9,2	13,2	13,5
Mmp3	Abs	28,5	12830,5	13520,5	181,5
NT-3	21,6	22,9	-1,5	-1,6	-1,7
Snca	14,3	15,6	-1,5	-1,5	-1,5
Spp1	19,7	18,6	3,7	2,6	8,7
Trem2	20,3	17,8	9,2	17,3	34,9

Suppl. Table 1.