

Supplementary Table 1. Significantly differentially expressed genes between malignant cells in the ascites and peritoneal tumoral implant.

Transcript Cluster ID	Primary Tumor Bi-weight Avg Signal (log2)	Peritoneal Implant Bi-weight Avg Signal (log2)	Fold Change (linear) (B vs. C)	ANOVA p-value (B vs. C)	Gene Symbol
16660652	6,02	4,56	2,75	0,008726	RNU6-135P
16990199	6,34	4,88	2,74	0,049463	VTRNA1-1
16827592	4,73	3,58	2,21	0,014176	RNU6-1262P
16873645	4,81	5,85	-2,07	0,025163	SNAR-C2; SNAR-C4; SNAR-C5; SNAR-C1; SNAR-C3; SNAR-B2; SNAR-B1; SNAR-E; MCAM
17119138	4,81	5,85	-2,07	0,025163	SNAR-C2; SNAR-C4; SNAR-C5; SNAR-C1; SNAR-C3; SNAR-B2; SNAR-B1; SNAR-E; MCAM
17119142	4,81	5,85	-2,07	0,025163	SNAR-C2; SNAR-C4; SNAR-C5; SNAR-C1; SNAR-C3; SNAR-B2; SNAR-B1; SNAR-E; MCAM
16899476	2,28	3,46	-2,26	0,044334	SNAR-H

Supplementary Table 2. Significantly differentially expressed genes between primary tumor and malignant cells in the ascites

Transcript Cluster ID	Primary Tumour Bi-weight Avg Signal (log2)	Malignant cells in the ascite Bi-weight Avg Signal (log2)	Fold Change (linear)	ANOVA p-value	Gene Symbol
17118836	10,12	1,32	448,04	0,001376	SNORD27; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
16766281	10,24	2,16	270,47	0,000464	SNORD59A
17118726	9,84	1,87	250,21	0,000154	SNORD44; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
16885189	10,85	3	229,38	0,000813	RNU4ATAC
17119704	10,37	2,62	216,1	0,000221	SNORD87; SNHG6
17079434	11,49	3,9	193,56	0,000016	SNORA72; RPL30
17118718	9,73	2,29	173,81	0,00041	SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17057422	8,89	1,53	164,06	0,001244	SNORA9; SNHG15; LOC101928927
16828108	10,29	3,14	141,62	0,002529	SNORD71
16826966	10,16	3,03	140,32	0,000493	SNORA46
17119262	9,04	2,19	115,43	0,000603	SNORD56; NOP56; SNORD57; SNORD86; SNORD110; MIR1292
17026087	9,71	2,91	111,01	0,001639	SNORD32B
16837063	8,77	2,03	107,27	0,001911	SNORA76C; RP11-329L6.1
16734524	11,26	4,52	106,68	0,000093	SNORA54
16721732	9,99	3,29	103,91	0,000751	SNORA45B

16760514	10,66	4,04	98,22	0,000041	SCARNA11
17118856	10,25	3,71	93,18	0,000295	SNORA18; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
17118854	9,99	3,48	90,79	0,000146	SNORD5; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; MIR1304
16919223	8,79	2,29	90,49	0,002757	SNORA71B; SNHG17
16914745	8,32	1,89	86,17	0,00019	SNORD12
16700713	9,88	3,52	82,47	0,000113	SNORA14B
17119144	9,83	3,5	80,44	0,002974	SNORD32A; RPL13A; SNORD35A; SNORD34; SNORD33
17047459	9,67	3,42	76,3	0,000052	SNORA14A
17118826	8,98	2,75	74,77	0,000328	SNORD22; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNHG1
16989863	10,29	4,08	74,2	0,00011	SNORA74A
17119356	7,56	1,35	73,86	0,000112	SNORA81; EIF4A2; SNORA63; SNORD2; SNORA4; MIR1248
17119388	9,45	3,27	72,21	0,000012	RPS3A; SNORD73A
17119488	10,84	4,67	71,92	0,00131	SNORA20
17119732	9,91	3,76	70,87	0,000243	SNORD36C; RPL7A; SNORD36B; SNORD36A; SNORD24
17119258	8,1	2,01	68,41	0,004014	SNORD110; NOP56; SNORD57; SNORD86; MIR1292
16823046	7,34	1,29	66,15	0,000193	SNORD60
17006066	9,42	3,39	65,36	0,001546	SNORD32B
16788659	8,4	2,37	65,2	5,06E-08	SNORD114-12
16832031	11,42	5,4	65,07	0,002586	SNORD3B-1; SNORD3B-2; SNORD3A; SNORD3C; SNORD3D; RP11-160E2.6
17012709	11,54	5,54	63,74	0,000064	SNORD100; SNORA33
17118666	7,85	1,86	63,33	0,000591	SNORD45B; RABGGTB; SNORD45A; SNORD45C
17119728	7,63	1,68	61,62	0,000131	SNORD36B; RPL7A; SNORD36A; SNORD24
17118830	10,63	4,69	61,53	0,000309	SNORD30; SNORD29; SNORD31; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17119148	7,4	1,46	61,46	0,002325	SNORD34; RPL13A; SNORD35A; SNORD33; SNORD32A
16889109	7,76	1,84	60,71	0,000184	SNORD2; EIF4A2; SNORA63; SNORA4; SNORA81; MIR1248
16830573	11,75	5,86	59,52	0,000239	SNORA48; EIF4A1; SNORA67; SNORD10
16837061	7,38	1,53	57,86	0,002955	SNORD104
16966721	8,07	2,23	57,17	0,000329	SNORA26
17119498	8,74	2,91	56,82	0,000323	SNORD52; C6orf48
17118720	8,83	3,08	54,04	0,001306	SNORD47; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17118730	10,57	4,86	52,41	0,000262	SNORD76; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD77
17098504	10,55	4,88	51,05	0,000124	SNORA65
17000520	9,96	4,29	50,95	0,001381	SNORD63
17017219	7,81	2,14	50,9	0,000584	SNORD117
16909520	11,85	6,21	49,87	0,000215	SNORA75
17119224	8,44	2,83	48,87	0,000021	SNORA41; EEF1B2
16717520	8,51	2,91	48,47	0,002864	SNORA12
16798216	7,86	2,36	45,31	0,009679	SNORD116-24
17114567	7,43	1,93	45,25	0,001449	SNORD61; RBMX; LOC101928747
17012711	10,57	5,1	44,26	0,000519	SNORA33
16837226	11,33	5,89	43,43	0,002399	SNORA38B

17118838	10,1	4,68	42,75	0,000082	SNORD26; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17026760	8,28	2,87	42,61	0,000601	SNORD117
17118850	7,1	1,71	41,9	0,000495	SNORA32; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORD5; MIR1304
17119260	8,35	3,01	40,54	0,000116	SNORA51
16909524	10,63	5,31	40,05	0,001963	SNORD82
16859655	9,79	4,48	39,78	0,002199	SNORA68; RPL18A
17119068	8,65	3,35	39,42	0,001321	SNORD42B; CEP164; RPL23A; SNORD42A
17119702	6,97	1,67	39,41	0,000056	SNORD54; RPS20
16745561	7,72	2,44	38,92	0,001441	SNORD14E
16725908	10,66	5,38	38,78	0,00034	SNORA57; METTL12
17119464	7,86	2,61	38,22	0,000055	SNORD52; C6orf48
17118654	7,71	2,5	37,21	0,000053	SNORD38B; RPS8; SNORD55
16919229	9,49	4,28	37,06	0,000534	SNORA71D
17118828	7,06	1,87	36,38	0,000415	SNORD31; SNORD29; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
16759469	10,3	5,12	36,27	0,000134	SNORA49
16842237	10,45	5,32	35,03	0,001684	SNORD3C
16992465	8,14	3,05	34,24	0,012511	SNORA74B
17119476	8,5	3,48	32,41	0,002597	SNORD84; DDX39B
17119630	8,5	3,48	32,41	0,002597	SNORD84; DDX39B
17118724	7,59	2,59	32,16	0,004491	SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17118780	12,53	7,54	31,85	0,000761	SNORA45A; RPL27A
16788616	7,79	2,87	30,21	0,000011	SNORD114-1
16778713	10,89	6,06	28,26	0,003481	TPT1; LOC101928826
16869291	6,91	2,1	28,09	0,000972	SNORD41
16763966	6,99	2,21	27,55	0,000379	SNORA2A
17118852	9,29	4,55	26,75	0,000885	SNORA1; TAF1D; SNORA8; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
17118774	6,55	1,82	26,54	0,000005	SNORA19
16990199	6,34	1,67	25,47	0,000072	VTRNA1-1
16694359	10,47	5,83	24,92	0,000368	SCARNA4
16696685	8,22	3,69	23,15	0,00004	SCARNA3
16838101	8,33	3,82	22,8	0,000008	SNORD1B
16855340	8,07	3,59	22,18	0,010108	SNORA37
17119150	7,63	3,17	22	0,016908	SNORD35A; RPL13A; SNORD34; SNORD33; SNORD32A
16789207	6,64	2,19	21,79	0,000057	SNORA28
16668109	7,78	3,34	21,63	0,000572	SCARNA2
17118860	7,19	2,78	21,15	0,003522	SNORD14C; HSPA8; SNORD14D
16855182	6,75	2,36	20,93	0,000138	SNORD58A; RPL17; SNORD58B; SNORD58C
17119056	8,4	4,03	20,8	0,000096	SNORA67; LOC101928634; EIF4A1; SNORA48; SNORD10; RP11-186B7.4
16729126	9,32	4,94	20,77	0,007755	SNORD15B
16878583	7,25	2,94	19,78	0,000675	SNORD92
17118690	8,88	4,62	19,15	0,000248	SNORA61; SNHG12; SNORA44; SNORA16A
16832566	8,39	4,13	19,14	0,004058	SNORD42A; RPL23A
16913572	10,68	6,42	19,13	0,001343	SNORA60

16788620	5,52	1,26	19,08	0,000274	SNORD114-3
16961037	8,63	4,4	18,7	0,004423	SCARNA7
17118832	9,85	5,63	18,69	0,000995	SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17118760	6,29	2,09	18,38	0,000037	SNORD98; CCAR1
16798164	7,02	2,83	18,28	0,024655	SNORD116-14; SNRPN
16810974	6,9	2,72	18,09	0,029349	SNORD16; RPL4; SNORD18A; SNORD18B; SNORD18C
17118670	7,32	3,18	17,62	0,002995	SNORD21; RPL5
16958972	8,57	4,46	17,27	0,021644	SNORA7B
17119726	6,98	2,95	16,42	0,002955	SNORD24; RPL7A; SNORD36B; SNORD36A
16826968	7,49	3,49	16,04	0,000966	SNORA76A
16721807	8,85	4,85	16	0,008716	SNORA23
17119730	5,42	1,43	15,92	0,000961	SNORD36A; RPL7A; SNORD36B; SNORD24
17119070	5,65	1,66	15,91	0,003068	SNORD4A
16798198	8,63	4,66	15,72	0,016212	SNORD116-19; SNORD116-16; SNORD116-17; SNORD116-18; SNORD116-21; SNORD116-22; IPW; SNORD107; PWARSN; SNORD116-4; SNORD115-7; SNORD115-13; SNORD115-26; SNORD116-28; LOC101930404; SNORD116-20; SNORD116@; SNRPN; SNHG14; RP11-701H24.4; SNORD116-15; SNORD116-14
16798202	8,63	4,66	15,72	0,016212	SNORD116-19; SNORD116-16; SNORD116-17; SNORD116-18; SNORD116-21; SNORD116-22; IPW; SNORD107; PWARSN; SNORD116-4; SNORD115-7; SNORD115-13; SNORD115-26; SNORD116-28; LOC101930404; SNORD116-20; SNORD116@; SNRPN; SNHG14; RP11-701H24.4; SNORD116-15; SNORD116-14
16914743	5,47	1,5	15,58	0,001102	SNORD12B
16822892	7,64	3,69	15,52	0,009601	SNORA64; RPS2
16941691	10,85	6,9	15,49	0,001709	SNORD69
17118818	9,79	5,84	15,38	0,01447	SNORD97; EIF4G2
16810943	6,36	2,44	15,11	0,000004	SCARNA14
17119062	5,73	1,85	14,77	0,003504	SNORD49A; LRRC75A-AS1; SNORD49B; SNORD65; C17orf76-AS1
17118692	6,74	2,88	14,5	0,000204	SNORA44; SNHG12; SNORA61; SNORA16A
16798190	8	4,19	14,06	0,018087	SNORD116-15
17118732	7,48	3,68	13,93	0,000124	SNORD74; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD76; SNORD77
17046586	5,81	2,02	13,88	0,02332	SNORA22
17093722	11,51	7,76	13,39	0,00422	RMRP; RP11-331F9.10
16798138	6,78	3,06	13,2	0,022546	SNORD116-2; SNORD116-6; SNORD116-1; SNORD116-4; IPW; SNORD107; PWARSN; SNORD116-22; SNORD115-7; SNORD115-13; SNORD115-26; SNORD116-28; LOC101930404; SNRPN; SNHG14
16798144	6,49	2,77	13,19	0,039213	SNORD116-3; SNORD116-8; SNORD116-9; SNORD116-5; SNORD116-7
16798154	6,49	2,77	13,19	0,039213	SNORD116-3; SNORD116-8; SNORD116-9; SNORD116-5; SNORD116-7
17015472	8,21	4,5	13,08	0,000013	SCARNA27
17121282	7,39	3,71	12,85	0,000095	GOLGA8A; GOLGA8B; LOC101930583
16983157	7,58	3,91	12,69	0,002939	SNORD123
16948967	8,16	4,5	12,63	0,001438	SNORD66
16864165	6,43	2,78	12,57	0,00037	SNORD35B; RPS11
16664514	7,19	3,54	12,54	0,001049	RNU4-61P
17118650	6,15	2,5	12,52	0,000034	SNORD55; RPS8; SNORD38B
16798152	6,42	2,78	12,46	0,039681	SNORD116-3; SNORD116-8; SNORD116-9; SNORD116-5; SNORD116-7
16798148	6,64	3	12,43	0,023869	SNORD116-2; SNORD116-6; SNORD116-8; SNRPN
17120598	9,94	6,31	12,41	0,005463	MALAT1
16773485	7,42	3,79	12,39	0,000163	SNORD102; RPL21; SNORA27

17119340	6,8	3,18	12,29	0,001288	SNORA6; RPSA; SNORA62
16795366	5,67	2,05	12,26	0,000128	SNORA79
16766279	5,13	1,54	12,1	0,003678	SNORD59B
17118834	5,08	1,54	11,62	0,000574	SNORD28; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
16970074	7,91	4,39	11,46	0,002821	SNORA24; SNHG8
16822904	8,44	4,94	11,35	0,003294	SNORA10; RPS2; SNORA64
16988913	6,38	2,93	10,89	0,00077	RNU6ATAC10P
17119480	6,68	3,25	10,81	0,012084	SNORD50A; SNORD50B; SNHG5
16964098	9,08	5,71	10,39	0,00067	SCARNA22
16694357	9,07	5,71	10,27	0,003275	SNORA80E
17046526	6,74	3,4	10,17	0,000007	SNORA15
17046588	6,74	3,4	10,17	0,000007	SNORA15
16798146	5,32	2,01	9,95	0,04078	SNORD116-5; SNORD116-7; SNORD116-3; SNORD116-8; SNORD116-9
16798150	5,32	2,01	9,95	0,04078	SNORD116-5; SNORD116-7; SNORD116-3; SNORD116-8; SNORD116-9
17119482	6,87	3,57	9,83	0,000426	SNORD50B; SNORD50A; SNHG5
17119330	7,9	4,6	9,82	0,018423	SNORD83B; RPL3; RNU86
17119496	9,31	6,02	9,79	0,002245	SNORD48
17119534	9,31	6,02	9,79	0,002245	SNORD48
17119596	9,31	6,02	9,79	0,002245	SNORD48
17118694	9,62	6,34	9,71	0,006464	SNORA16A; SNHG12; SNORA44; SNORA61
17119458	10,1	6,82	9,69	0,003179	SNORD95; GNB2L1; SNORD96A
16892523	7,01	3,74	9,66	0,024809	SCARNA6
16858120	11,17	7,9	9,64	0,002117	SNORD105B
17119462	8,93	5,67	9,62	0,001989	SNORD48
16846359	9,44	6,18	9,57	0,002147	RNU1-42P
17119146	10,14	6,89	9,5	0,007514	SNORD33; RPL13A; SNORD35A; SNORD34; SNORD32A
16696533	6,57	3,34	9,42	0,00021	SNORD75
17119818	4,61	1,37	9,41	0,00001	SNORA69; RPL39
16661646	10,05	6,81	9,39	0,0016	RNU11
16855180	5,62	2,39	9,35	0,003211	SNORD58C; RPL17; SNORD58B; SNORD58A
17120596	8,49	5,28	9,23	0,011416	MALAT1
16743322	7,39	4,2	9,11	0,022189	SNORA8; TAFID; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
17121284	6,44	3,27	9,01	0,000138	GOLGA8A; GOLGA8B; LOC101930583
16987992	7,13	3,97	8,9	0,00477	SNORA13
16844046	8,2	5,06	8,83	0,000896	SNORA21; RPL23
17118778	8,19	5,06	8,77	0,010174	SNORA52; RPLP2
17046094	8,55	5,43	8,73	0,000487	RNU1-14P
17119264	8,45	5,32	8,72	0,000868	SNORD57; NOP56; SNORD86; SNORD110; MIR1292
17099678	6,42	3,3	8,68	0,005502	RNU6ATAC; RNU6ATAC2P
16692557	6,39	3,27	8,65	0,02586	RNVU1-15
16692555	7,87	4,78	8,5	0,028794	RNVU1-15
16847258	5,03	1,95	8,49	0,007263	RNU4-13P

17119064	4,4	1,32	8,48	0,003515	SNORD65; SNORD49A; LRRC75A-AS1; SNORD49B; C17orf76-AS1
16802102	4,9	1,82	8,47	0,00548	RNU5B-1
17126190	7,47	4,39	8,42	0,000269	SNORA17; SNHG7; SNORA43
16763964	9,61	6,55	8,34	0,017662	SNORA34; MIR1291
16919225	7,73	4,68	8,27	0,005546	SNORA71A
16996347	6,42	3,4	8,1	0,004143	RNU6ATAC2P; RNU6ATAC
16760068	6,8	3,79	8,08	0,022075	RPS27
16726891	6,05	3,09	7,79	0,010197	MALAT1
16907720	7,6	4,66	7,72	0,001158	RNA5SP116
17078914	6,82	3,89	7,63	0,001231	RNU6-925P
16707925	5,94	3,02	7,62	0,000038	RNU6-1274P
16707882	5,64	2,72	7,54	0,000213	RNU6-271P
16804031	4,47	1,56	7,5	0,000456	SCARNA15; SNHG21; RP11-752G15.7
16914741	4,34	1,44	7,48	0,000878	SNORD12C
16798236	5,12	2,22	7,44	0,009835	SNORD116-29
17118662	4,51	1,63	7,4	0,005715	SNORD45C; RABGGTB; SNORD45B; SNORD45A
16789953	4,75	1,87	7,39	0,002301	SNORD126
17121462	5,28	2,41	7,3	0,009836	SMG1; SMG1P1; SMG1P3; LOC101060596; LOC10273773; LOC102725125; BOLA2; LOC101060386; SLC7A5P1; LOC101060604; SMG1P5; SMG1P7; CTD-2547E10.2; RP11-645C24.2; RP11-231C14.3; RP11-347C12.2; RP11-345J4.8; RP11-296110.6; NPIP4; LOC613037; NPIP5; NPIPA5; SMG1P2
17027880	7,12	4,25	7,28	0,002006	SNORA38
17033410	7,12	4,25	7,28	0,002006	SNORA38
17038203	7,12	4,25	7,28	0,002006	SNORA38
17040798	7,12	4,25	7,28	0,002006	SNORA38
17121458	6,72	3,86	7,25	0,004018	RP11-231C14.3; SMG1; SMG1P7; SMG1P1; SLC7A5P1; SMG1P3; LOC101060604; BOLA2; LOC101060386; SMG1P5; CTD-2547E10.2; RP11-645C24.2; RP11-296110.6; NPIP4; LOC102725125; LOC613037; NPIP5; NPIPA5; NPIP3; LOC101929910; RP11-347C12.2; RP11-345J4.8
17024723	6,35	3,5	7,22	0,001924	RNU4-7P
17119270	8,2	5,37	7,1	0,000062	SNORA71E; SNHG11; SNORA60
16790360	6,42	3,6	7,08	0,0228	SNORD9
17118802	7,02	4,21	7,04	0,020584	SNORD15A; RPS3
17119040	10,45	7,64	6,99	0,015592	SNORD68; RPL13
16735734	9,34	6,54	6,96	0,000123	MTRNR2L8; MIR4485
17118820	6,12	3,33	6,9	0,003755	SNORD14B; RPS13; LOC100508408
16798206	4,71	1,93	6,85	0,046249	SNORD116-20; SNORD116-19; SNORD116-17; SNORD116-21; SNORD116@; RP11-701H24.4
17120600	8,68	5,93	6,75	0,009546	MALAT1
16900737	6,03	3,29	6,71	0,000442	ANKRD36B
16867229	5,26	2,52	6,69	0,00014	SNORD37
17092710	7,64	4,9	6,68	0,001897	SCARNA8
16917529	8,3	5,58	6,58	0,045775	SNORD17
16909411	4,83	2,12	6,54	5,18E-07	RNY4P19
16766940	10,08	7,38	6,49	0,030899	RNU1-83P
16684140	6,51	3,82	6,46	0,000071	RNU6-176P
16839602	5,76	3,07	6,46	0,012467	SNORD91B
17119358	3,78	1,11	6,4	0,001723	SNORA4; EIF4A2; SNORA63; SNORD2; SNORA81; MIR1248

17123154	6,2	3,55	6,29	0,001563	TPM4; AC098614.2; GS1-44D20.1
17124640	6,66	4,04	6,17	0,012305	TLK2; LOC101928451; TLK2P1; RP11-274B21.1
17118722	3,91	1,29	6,15	0,028432	SNORD80; SNORD81; SNORD79; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17119798	6,42	3,8	6,11	0,000688	SNORA70; RPL10
17121460	6,09	3,52	5,96	0,01178	SMG1P1; SMG1P3; LOC102725125; NPIP4; LOC613037; NPIP5; NPIPA5; SLC7A5P1; LOC101060604; SMG1P5; CTD-2547E10.2; RP11-645C24.2; RP11-231C14.3; RP11-347C12.2; RP11-345J4.8; SMG1; SMG1P2; LOC101060596; BOLA2; LOC101060386; LOC102723773; SMG1P7; RP11-296I10.6
17126262	5,57	3	5,92	0,022874	NEAT1; MIR612
17045836	7,31	4,75	5,91	0,000029	RNU6-326P
17126192	4,75	2,18	5,91	0,003923	SNORD49B; SNORD49A; LRRC75A-AS1; SNORD65; C17orf76-AS1
17121596	3,94	1,39	5,84	0,00092	CCDC144A; CCDC144CP; CCDC144B; RP11-219A15.1
16678516	9,32	6,79	5,78	0,003835	RNA5SP19
16901197	9,55	7,02	5,76	0,049486	SNORD89; RNF149
16660652	6,02	3,51	5,72	0,001017	RNU6-135P
17122454	6,35	3,86	5,63	0,002819	ANKRD36; ANKRD36B; ANKRD36C
16935259	5,02	2,55	5,53	0,020872	SNORD83A
16855322	5,33	2,89	5,45	0,002192	RNU1-46P
17121456	5,65	3,21	5,43	0,006802	SMG1; BOLA2; LOC101060386; SMG1P5; RP11-231C14.3; SMG1P1; SMG1P3; SMG1P7; NPIP4; LOC102725125; LOC613037; NPIP5; NPIPA5; SLC7A5P1; LOC101060604; NPIP3; LOC101929910; CTD-2547E10.2; RP11-645C24.2; RP11-347C12.2; RP11-345J4.8; RP11-296I10.6
16992094	5,28	2,85	5,42	0,000835	RNU6-477P
17123152	6,04	3,6	5,41	0,0007	TPM4; AC098614.2; GS1-44D20.1
16972153	5,08	2,64	5,4	0,00426	RNU4-87P
16938579	4,6	2,18	5,37	0,001208	RNA5SP127
16798228	4,06	1,64	5,35	0,019246	SNORD116-26
17120418	5,93	3,52	5,33	0,021797	YWHAZ; YWHAZP5; RP11-204C16.4; YWHAZP4; YWHAZP6; YWHAZP3
16904022	9,81	7,4	5,32	0,001624	RNU6-580P
16950131	5	2,6	5,31	0,000148	RNU6-858P
16800297	8,51	6,13	5,23	0,002246	RNU6-353P
17065663	4,28	1,89	5,22	4,45E-07	RNU6-729P
16838103	4,84	2,46	5,2	0,000802	SNORD1A; SNORD1C; SNHG16
16997399	7,59	5,22	5,19	0,012514	SNORA47
16858118	6,51	4,14	5,15	0,001097	SNORD105
17119332	8,58	6,22	5,14	0,000032	SNORD43; RPL3; RNU86; SNORD83B
16942367	6,78	4,42	5,13	0,005212	RNA5SP134
16763095	5,24	2,89	5,12	0,002846	RNA5SP359
17084256	4,56	2,23	5,05	0,000156	RNU4ATAC15P
16888104	8,62	6,28	5,05	0,001607	RNU5E-9P
16682702	5,67	3,34	5,01	0,000009	RNU6-1099P
16737841	7,04	4,72	5	0,003321	SNORD67
17022612	5,14	2,82	4,97	0,000199	RNU6-906P
17006743	6,51	4,2	4,97	0,005157	SNORA38
17009661	8,43	6,12	4,96	0,003904	RNU1-136P
16798242	4,62	2,32	4,94	0,008895	SNORD116-30
16858774	5,77	3,47	4,93	0,023609	CALR

17047772	5,12	2,82	4,9	0,00001	RNA5SP234
16827592	4,73	2,44	4,88	0,000104	RNU6-1262P
16842217	9,18	6,91	4,82	0,013404	SNORD3D; RP11-160E2.6
16820841	4,07	1,82	4,76	0,002761	RNU6ATAC25P
16966210	6,77	4,56	4,64	0,001106	RNU6-1112P
17120680	4,85	2,64	4,63	0,033309	NEAT1; MIR612
16997843	6,66	4,45	4,62	0,003063	RNU6-804P
16711985	5,82	3,62	4,6	0,007221	RNA5SP302
16706706	6,53	4,35	4,55	0,00172	RNU6-441P
16774679	5	2,84	4,49	0,025298	ITM2B
17122204	4,15	1,99	4,47	0,006505	ANKRD36; ANKRD36B; ANKRD36C; ANKRD36BP2
16684389	3,44	1,28	4,46	0,009725	SNORD85
16810976	4,2	2,06	4,43	0,003846	SNORD18A; RPL4; SNORD16; SNORD18B; SNORD18C
16732345	8,06	5,92	4,41	0,015841	RNU6-1123P
16793923	3,3	1,17	4,38	0,000758	RNU2-14P
16729538	4,11	1,99	4,36	0,000048	RNU6-544P
16832568	4,35	2,24	4,32	0,007391	SNORD4B; RPL23A; SNORD42A
16834632	4,92	2,81	4,31	0,000154	RNU6-971P
16961947	10,82	8,71	4,3	0,007382	RNA5SP150
16810954	6,11	4,04	4,2	0,020989	RPL4; SNORD16; SNORD18A; SNORD18B; SNORD18C
16743340	5,04	2,98	4,17	0,000079	SNORD6; TAFID; SNORA8
16919254	4,77	2,72	4,16	0,007285	RNA5SP484
16661495	3,54	1,5	4,14	0,002055	SCARNA1
17016494	6,62	4,57	4,14	0,029041	HIST1H4K; HIST1H4J; HIST1H4I; HIST1H4A; HIST1H4D; HIST1H4F; HIST1H4C; HIST1H4H; HIST1H4B; HIST1H4E; HIST1H4L; HIST2H4A; HIST4H4; HIST2H4B
16662722	4,84	2,81	4,08	0,000263	RNU6-753P
17122280	5,62	3,6	4,04	0,000029	LOC440895; LIMS3-LOC440895; LOC100507334; LOC100288570; LIMS3; AC013271.3; RP13- 1039J1.2; AC108938.5; RP11-1223D19.1
17058731	5,28	3,27	4,04	0,004602	GTF2I; GTF2IP1; LOC100093631; RP11-396K3.1
17046886	5,19	3,18	4,04	0,004845	GTF2I; GTF2IP1; LOC100093631; RP11-396K3.1
16893538	8,73	6,71	4,04	0,005127	RNA5SP122
17118848	3,71	1,7	4,03	0,000106	SNORA25; TAFID; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
16825449	6,5	4,49	4,03	0,003068	NPIP11; NPIP5; NPIP3; NPIP4; NPIPA5; LOC101929910; LOC613037; RP11-347C12.1; NPIP6; LOC101060275; NPIP8; NPIP9; CTB-134H23.2; RP11-231C14.4
17116334	6,2	4,19	4,01	0,001175	RNA5SP520; RNA5SP523
17117055	6,2	4,19	4,01	0,001175	RNA5SP520; RNA5SP523
16874645	5,59	3,59	4	0,000037	SNORD88C; C19orf48
16685702	6,05	4,05	4	0,000315	SNORA55
16684385	4,18	2,18	3,99	0,010763	SNORD103A; SNORD103B
16684387	4,18	2,18	3,99	0,010763	SNORD103A; SNORD103B
16703561	8,05	6,06	3,99	0,011938	RNU6-1067P
16698405	6,18	4,19	3,97	0,003204	RNA5SP74
16874373	4,86	2,89	3,91	0,00065	RNU6-841P

16720878	6.94	4.97	3.91	0.001253	RNU6-878P
17123388	6.27	4.3	3.91	0.028574	HMGB1; HMGB1P5; HMGB1P1; CTCFL; HMGB1P4; HMGB1P9
16984903	4.72	2.76	3.88	0.013776	RNA5SP183
16661587	7.4	5.45	3.87	0.002772	RNU6ATAC27P
16815208	5.99	4.05	3.84	0.000309	SRRM2
16830837	5.75	3.82	3.83	0.001439	SCARNA21
16808555	8.97	7.04	3.82	0.005943	RNU1-119P; RNU1-78P
16778731	3.7	1.77	3.8	0.02667	SNORA31
16798246	3.99	2.07	3.79	0.007208	IPW; SNORD107; PWARSN; SNORD116-4; SNORD116-22; SNORD115-7; SNORD115-13; SNORD115-26; SNORD116-28; LOC101930404; SNRPN; SNHG14
16864159	6.79	4.89	3.73	0.031582	RPS11; SNORD35B
17057460	3.67	1.77	3.72	0.016088	SNORA5A; TBRG4
16688022	8.6	6.72	3.69	0.004026	RNU6-371P
16956557	4.42	2.54	3.68	0.002822	RNU6-873P
17119456	6.24	4.36	3.68	0.002934	GNB2L1; SNORD95; SNORD96A
16916559	3.08	1.2	3.68	0.005956	SNORD119
17120092	4.2	2.33	3.67	0.000112	LINC01359; RP11-182I10.3
17100899	7.13	5.26	3.67	0.003522	RNA5SP174
16808306	4.46	2.58	3.66	0.000039	PIIP5K1; LOC100508782; AC011330.5
16713085	4.37	2.49	3.66	0.010766	KIF5B
17046876	5.85	3.99	3.64	0.004297	PMS2P1; PMS2L2; PMS2P8; RP11-313P13.3; RP11-313P13.4; DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P11; PMS2P5; PMS2P9; PMS2P4; PMS2P11; PMS2P6; LOC441259; PMS2
17058776	5.85	3.99	3.64	0.004297	PMS2P1; PMS2L2; PMS2P8; RP11-313P13.3; RP11-313P13.4; DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P11; PMS2P5; PMS2P9; PMS2P4; PMS2P11; PMS2P6; LOC441259; PMS2
17021385	4.3	2.45	3.62	0.012344	SYNCRIP
17021162	4.56	2.71	3.61	0.000138	RNU6-130P
16995717	3.19	1.34	3.61	0.018629	SNORD72
17102272	3.32	1.47	3.6	0.000263	SCARNA23
17124564	4.28	2.43	3.6	0.005738	LOC101929381; RP11-460N20.5; RP11-479O9.2
17058643	3.86	2.02	3.6	0.01173	RNA5SP233
16969988	8.02	6.18	3.6	0.011858	RNU1-138P
16702455	4.27	2.43	3.59	0.000214	RNU6-1095P
16989815	7.17	5.33	3.59	0.001959	RNU6-572P
16788683	4.46	2.63	3.56	0.000965	SNORD114-21
16818588	6.36	4.54	3.54	0.00299	RNA5SP419
16798230	3.35	1.52	3.54	0.014916	SNORD116-27
16701324	5.35	3.53	3.53	0.013436	HNRNPU
16747336	6.73	4.92	3.52	0.014795	SCARNA10
16976131	8.27	6.46	3.52	0.027742	RNA5SP361
17061127	6.15	4.34	3.51	0.000354	RASA4; RASA4B; POLR2J4; AC004985.12; RP11-514P8.6; RP11-514P8.8; RP5-1022I14.1; RP5-1165K10.2
17121352	5.34	3.53	3.51	0.002479	SNX29; SNX29P2; SNX29P1; LOC101929304; AC007601.2
16697299	4.44	2.64	3.48	0.011446	TPR
16933623	4.9	3.11	3.46	0.000017	SNORD125; MIR3653
16989054	4.69	2.9	3.46	0.003177	RAD50

16899758	11,55	9,93	3,07	0,021292	RNU1-38P
17119236	11,55	9,93	3,07	0,021292	RNU1-38P
17076203	4,96	3,34	3,06	0,001449	RNU6-533P
16880372	6,33	4,71	3,06	0,021121	RNU1-32P
16669437	5,31	3,7	3,05	0,004892	HIST2H2BA
16874641	7,45	5,85	3,03	0,000031	SNORD88B; C19orf48; SNORD88C
17120706	3,59	1,99	3,03	0,000086	PPFIBP1; LOC729222; RP11-582E3.4; ALK
16835538	5,95	4,34	3,03	0,004147	RNU6-826P
17095956	7,35	5,76	3,02	0,000133	LOC101927993; RP11-274J16.5
16670492	4,84	3,25	3,02	0,02129	MRPS21
16904972	5,48	3,89	3,01	0,000713	RNU6-1006P
16818927	4,55	2,96	3	0,001055	CHD9
16675354	3,85	2,26	3	0,00454	CDC73
17056031	4,76	3,17	3	0,008269	HNRNPA2B1
16903419	3,81	2,23	2,99	0,000471	RNU6-715P
16784965	5,3	3,72	2,99	0,00282	RNU6-398P
16780867	5,26	3,7	2,95	0,024965	ARGLU1
16867212	5,79	4,23	2,95	0,048418	EEF2
16959206	3,15	1,59	2,94	0,000249	SNORA58
17116355	7,04	5,49	2,94	0,002981	RNU1-41P; RNU1-48P
17117092	7,04	5,49	2,94	0,002981	RNU1-41P; RNU1-48P
16825699	7,03	5,47	2,94	0,013696	LOC613037; LOC101929910; RP11-347C12.1; NPIP3; NPIP5; NPIP4; LOC101060275; NPIPA5; NPIPB11; RP11-231C14.4; NPIPB6; NPIPB9; NPIPB8; RP11-166B2.1; CTB-134H23.2
16870200	4,4	2,85	2,92	0,00105	BST2
17114723	4,37	2,82	2,92	0,002635	SPANXC; SPANXD
16722960	5,54	4	2,91	0,003182	RNA5SP338
17064677	4,78	3,25	2,9	0,021552	RNA5SP250
16816700	8,26	6,73	2,88	0,010409	RNU6-1005P
16741637	3,92	2,4	2,87	0,00045	RNU6-292P
16956027	4,58	3,05	2,87	0,002516	TMF1
17053049	4,42	2,9	2,87	0,02056	RNU6-650P
16837326	5,01	3,5	2,86	0,010904	PRKARIA; RP11-120M18.2
17125566	7,74	6,22	2,85	0,012867	FTH1P8
16711442	3,81	2,3	2,85	0,04262	GDI2
16907780	3,62	2,11	2,85	0,049465	RNA5SP117
16670212	4,57	3,07	2,84	0,048036	RNVU1-14
16733848	4,85	3,35	2,82	0,000063	RP11-326C3.7
17038309	5,86	4,37	2,82	0,009356	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L
16878729	4,95	3,45	2,82	0,01143	RNA5SP90
16833037	3,66	2,17	2,82	0,048122	SUZ12
16881293	3,88	2,38	2,81	0,004871	ZNF638; ZNF638-IT1
16859253	5,25	3,76	2,81	0,039903	TPM4
17096326	6,94	5,45	2,8	0,004097	RNU6-798P

17072371	4,12	2,64	2,79	0,000556	RNU6-628P
17121592	3,64	2,16	2,79	0,005172	CCDC144A; CCDC144CP; CCDC144B; RP11-219A15.1
16896650	3,75	2,26	2,79	0,018829	SRSF7
16669997	3,99	2,51	2,78	0,003709	NBPF12
16925023	5,65	4,18	2,78	0,03216	SNORA80A
16787530	5,06	3,59	2,77	0,00426	SNORA11B
16679567	5,16	3,68	2,77	0,004755	RNU6-947P
17087933	4,59	3,13	2,76	0,036977	RAD23B
16812851	3,77	2,31	2,75	0,001303	RNU6-339P
17114581	4,29	2,83	2,75	0,003318	RNU6-985P
17106604	4,88	3,42	2,75	0,021251	NDUFA1
16983742	4,1	2,64	2,74	0,000231	RNU6-760P
16788614	4,7	3,25	2,74	0,000698	SNORD113-9
16783644	4,96	3,5	2,74	0,003781	PNN
16692209	6,33	4,87	2,74	0,004321	NBPF11; NBPF12; NBPF10; NBPF9; NBPF14; NBPF8; NBPF15; NBPF20; NBPF1; NBPF25P; LOC102724250; NBPF23; NBPF26; RP11-458D21.5; NBPF19
16848581	5,9	4,44	2,74	0,012778	RNA5SP448
17125568	7,54	6,08	2,74	0,022654	FTH1P8
17124100	3,87	2,43	2,73	0,003092	GUSBP2; SMA4; LOC653080; LOC102725134; RP11-124L9.2
16665373	4,7	3,26	2,73	0,007896	INADL
16954608	10,47	9,03	2,72	0,009734	RNA5SP132
16868410	3,54	2,09	2,72	0,013463	ZNF121
17010419	3,68	2,24	2,71	0,021491	SEN6
17118660	5,04	3,61	2,7	0,003488	MIR4781
17063534	3,96	2,53	2,69	0,000441	RNU6-797P
16682904	4,79	3,36	2,69	0,001513	HP1BP3
16781266	7,57	6,14	2,69	0,01424	RNU1-16P
17093373	2,69	1,26	2,69	0,017702	SNORD121A
16930938	6,32	4,89	2,69	0,027487	RNU12
16677612	3,99	2,57	2,68	0,000537	RNA5SP76
16880122	4,98	3,56	2,68	0,002699	SPTBN1
16870956	3,07	1,65	2,68	0,003537	ZNF91
16798208	2,85	1,43	2,68	0,041438	SNORD116-21; SNORD116-19; SNORD116-17; SNORD116-20; SNORD116@; RP11-701H24.4
16662296	3,53	2,11	2,67	0,002884	RNA5SP42
17121476	5,6	4,19	2,67	0,003058	HERC2; HERC2P2; HERC2P3; LOC101929047; LOC101929832; HERC2P9; HERC2P5; HERC2P8; HERC2P4
17016025	8,16	6,74	2,67	0,012994	RNU6-801P
16786587	5,83	4,41	2,67	0,013258	FOS
16989736	5,13	3,72	2,66	0,026596	EGR1
16673767	4,79	3,38	2,66	0,033152	PRRC2C
17006881	6	4,59	2,65	0,005656	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
17087002	4,59	3,18	2,65	0,02275	MIRLET7A1
16688487	3,89	2,48	2,65	0,039005	ZRANB2
16684024	4,9	3,5	2,64	0,008234	WASF2

16845713	4,13	2,73	2,64	0,010692	GPATCH8
16991470	11,5	10,1	2,64	0,016438	RNA5SP199
17020930	3,93	2,53	2,64	0,02046	TMEM30A
17120990	5,59	4,19	2,64	0,040428	FTH1P7
16691877	8,31	6,91	2,63	0,000536	RNU1-13P
16692446	8,31	6,91	2,63	0,000536	RNU1-13P
17102095	4,2	2,81	2,63	0,000908	RNU6-266P
16798222	3,42	2,02	2,63	0,010153	SNORD116-25
16918859	4,02	2,63	2,63	0,039851	RBM39
16817391	5,88	4,49	2,62	0,001931	NPIP8; NPIP9; NPIP6; NPIP15; NPIP7; CTB-134H23.2
16913737	4,77	3,38	2,62	0,018653	TOP1
17016383	4,42	3,04	2,62	0,038234	HIST1H4D
16982385	3,39	2,01	2,61	0,000091	RNU1-51P
16812243	5,71	4,33	2,61	0,002307	RNU6-415P
16906335	6,6	5,22	2,61	0,008239	RNA5SP114
17026331	5,86	4,47	2,61	0,009314	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L
17084237	3,59	2,21	2,61	0,017873	DNAJA1
16994170	3,89	2,5	2,61	0,029394	NSUN2
16662735	2,63	1,26	2,6	0,000045	RNU6-605P
16772821	5,15	3,78	2,59	0,000451	RNU4ATAC12P
17100860	5,15	3,78	2,59	0,000451	RNU4ATAC12P
16743296	3,19	1,82	2,59	0,010109	TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
16782001	5,28	3,91	2,58	0,012336	TRDJ3; YME1L1
17125728	4,16	2,79	2,58	0,014369	LOC102723951; AC023274.4; AC007562.1
16670079	3,84	2,47	2,57	0,002971	PDIA3P1
17023227	4,4	3,04	2,57	0,015315	RNU4-35P
16692580	6,27	4,92	2,56	0,003969	HIST2H3PS2; RP5-998N21.10
16896442	3,42	2,06	2,56	0,007478	EIF2AK2
17038297	6,38	5,03	2,56	0,010769	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
16913856	4,53	3,17	2,56	0,025999	SRSF6
17021922	3,65	2,3	2,55	0,003188	PNISR
16854395	4,57	3,21	2,55	0,010656	RNU6-1289P
16663446	4,04	2,69	2,55	0,016957	RNA5SP46
17085779	3,85	2,5	2,55	0,026584	SMC5
17122038	5,94	4,59	2,55	0,031392	AC008753.3
16846993	4,59	3,24	2,55	0,033054	SRSF1
17125262	5,02	3,68	2,54	0,005591	BMS1P20; BMS1P10; RP11-236F9.4; BMS1; LOC101929959; LOC102724031; BMS1P15; BMS1P16; LL22NC03-80A10.6; RP11-492D6.2; RP11-854K16.1; LL22NC03-80A10.12
17115996	6,12	4,78	2,53	0,000158	KRT18P10
16980970	4,79	3,46	2,53	0,00031	RNU6-582P
17112269	3,69	2,37	2,51	0,000761	ATRX
17006863	6,05	4,73	2,51	0,008573	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
16893931	3,38	2,06	2,51	0,017322	AC018685.2
16798212	2,58	1,25	2,51	0,024409	SNORD116-23

16675636	2,91	1,59	2,5	0,005515	RNU6-778P
16895076	4,06	2,74	2,5	0,005839	RNA5SP87
17028007	6,3	4,98	2,49	0,007425	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L
16678559	5,49	4,18	2,49	0,010505	RNA5SP78
16817363	5,79	4,48	2,49	0,011536	EIF3C; EIF3CL
16805230	4,26	2,95	2,48	0,001608	CHD2
16837230	4,57	3,26	2,48	0,003092	BPTF
16944892	6,07	4,76	2,48	0,047927	RNU6-143P
16709739	4,52	3,21	2,47	0,000127	EMX2
16833742	6,06	4,76	2,47	0,01952	RPL19
16667175	2,86	1,57	2,45	0,001134	SNORA66; RPL5
16835272	4,59	3,3	2,45	0,032525	KPNB1
16828732	5,97	4,68	2,45	0,041954	RNA5SP432
16838581	4,7	3,41	2,45	0,045613	RNF213
16750254	2,92	1,64	2,44	0,000497	RNU6-249P
17077824	6,18	4,89	2,44	0,008305	RNU6-1324P
17089735	5,2	3,91	2,44	0,009643	SPTAN1
16866174	11,38	10,1	2,44	0,016822	RNA5SP199
16963340	3,3	2,02	2,44	0,021356	UBXN7
16959361	5,18	3,9	2,44	0,029484	RNA5SP140
16784365	5,45	4,17	2,43	0,000667	RNU6ATAC9P
16681845	3,73	2,46	2,43	0,00188	PRAMEF11
17118652	2,63	1,35	2,43	0,002228	SNORD38A
16982426	4,25	2,97	2,43	0,030691	YTHDC1
16673032	3,81	2,53	2,42	0,000007	RNA5SP61
17121692	4,81	3,53	2,42	0,000227	AMZ2
16779193	3,22	1,94	2,42	0,0008	RNA5SP28
17087682	3,09	1,82	2,42	0,001478	RNU6-329P
16698529	4,2	2,93	2,42	0,009573	NUCKS1
16819792	9,93	8,66	2,42	0,027061	RNA5SP428
16713307	3,5	2,22	2,42	0,03638	RNU6-1167P
16865048	3,24	1,97	2,41	0,000886	MIR520B
16802720	3,49	2,22	2,41	0,003106	ARIH1
16824481	5,08	3,82	2,41	0,004019	SMG1; BOLA2; LOC101060386
17026318	6,35	5,08	2,41	0,012518	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
16970894	3,31	2,05	2,4	0,00278	RNU6-1214P
17011338	4,97	3,71	2,4	0,007064	RNU6-527P
16663317	5,99	4,72	2,4	0,023823	YBX1
17084268	4,12	2,86	2,4	0,02787	CHMP5
16825306	5,8	4,54	2,39	0,011866	EIF3C; EIF3CL
16811372	5,92	4,66	2,39	0,025312	PKM
16881061	2,73	1,48	2,38	0,000094	RNU6-1216P
17121474	5,05	3,8	2,38	0,002183	HERC2; HERC2P2; HERC2P3; LOC101929047; LOC101929832; HERC2P9; HERC2P5; HERC2P8; HERC2P4
16763968	3,36	2,11	2,38	0,016998	SNORA2B

17075563	7,7	6,45	2,38	0,033912	RNU1-148P
16843074	4,95	3,71	2,37	0,000184	RNY4P13
16917746	3,03	1,79	2,37	0,001594	RNA5SP477
16904039	4,33	3,08	2,37	0,003005	BAZ2B
16985852	4,09	2,85	2,37	0,014063	BDP1
16914704	4,29	3,04	2,37	0,036604	DDX27
17114713	3,11	1,87	2,36	0,00002	SPANXA1; SPANXA2; SPANXC
16849576	5,76	4,52	2,36	0,001903	LGALS3BP
17121590	3,78	2,54	2,36	0,008915	CCDC144A; CCDC144C; CCDC144B; RP11-219A15.1
16775338	3,36	2,12	2,36	0,009748	PIBF1
16788663	4,2	2,97	2,36	0,042621	SNORD114-14
16766283	4,24	3	2,36	0,04898	PTGES3
16919408	3,08	1,85	2,35	0,004317	OSER1
16985794	3,42	2,19	2,35	0,01355	GTF2H2C_2; GTF2H2C; GTF2H2; GTF2H2B; GTF2H2D
17031209	4,4	3,17	2,35	0,013728	BRD2
16858235	5,27	4,04	2,35	0,026041	ILF3
16994942	6,48	5,25	2,35	0,03664	RNU6-363P
16678949	3,8	2,57	2,34	0,000162	RNY4P16
16808296	4,62	3,39	2,34	0,00147	RNU6-354P; RNU6-610P
16942040	3,82	2,6	2,34	0,002683	RNU6-483P
16857315	4,59	3,36	2,34	0,006086	SAFB
16924551	5,02	3,79	2,34	0,019727	APP
16847605	4,57	3,35	2,34	0,029282	CCDC47
16924143	4,56	3,34	2,33	0,000332	KMT2C; BAGE2
16808330	4,39	3,17	2,33	0,002536	PIIP5K1; LOC100508782; AC011330.5
16832658	3,78	2,56	2,33	0,004271	TAOK1
17021049	4,81	3,6	2,32	0,039048	HMG3
16676228	4,28	3,06	2,32	0,049911	ZC3H11A; LOC441155
16957106	3,62	2,41	2,31	0,027503	IFT57
16882039	4,19	2,99	2,3	0,000565	RNU6-685P
16818580	6,56	5,35	2,3	0,00083	RNA5SP415
16811391	4,22	3,02	2,3	0,000917	PARP6
17051236	3,69	2,49	2,3	0,010814	CALU
17089622	4,01	2,81	2,3	0,014596	TMSB4XP4
16695818	2,98	1,77	2,3	0,016515	RNA5SP62
16983000	7,04	5,83	2,3	0,039894	RNA5SP176
16912625	3,96	2,75	2,3	0,040588	MAPRE1
16786133	4,33	3,14	2,29	0,003481	RBM25
17121430	4,16	2,96	2,29	0,008294	ERVK13-1; CTD-2270P14.1
16894557	10,79	9,6	2,29	0,02079	RNA5SP85
16791909	3,75	2,55	2,29	0,027185	BAZ1A
17125294	6,41	5,21	2,29	0,03415	HSPB1P1; HSPB1
17058413	3,93	2,74	2,28	0,000381	GTF2IRD2P1
17030833	5,89	4,7	2,28	0,011566	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L

17125292	6,46	5,27	2,28	0,022483	HSPB1; HSPB1P1; HSPB1P2
16708887	3,93	2,74	2,28	0,029619	SLK
17116650	5,3	4,12	2,27	0,0021	RNU1-86P; RNU1-107P
16712451	3,05	1,86	2,27	0,002866	RNU6-306P
17045069	3,24	2,06	2,27	0,012046	RNA5SP229
16847393	5,5	4,32	2,27	0,021263	SCARNA20
16973265	5,8	4,63	2,25	0,004903	RNA5SP174
16998463	3,45	2,28	2,25	0,02643	CHD1
17108003	5,71	4,55	2,24	0,000001	BGN
16927731	4,25	3,08	2,24	0,000164	IGLV1-50
16974412	4,11	2,95	2,24	0,000774	BOD1L1
16690888	3,82	2,65	2,24	0,002142	RNU6-151P
16818522	5,51	4,35	2,24	0,003106	RNA5-8SP2
16703251	4,46	3,3	2,24	0,004953	KIAA1217
16660828	4,66	3,49	2,24	0,016015	SRRM1
17126016	6,63	5,48	2,23	0,002951	MIR4469
16693976	5,52	4,36	2,23	0,008725	MUC1
16713230	4,38	3,22	2,23	0,010462	PARD3
16710126	4,82	3,67	2,22	0,000525	HTRA1
17088122	3,26	2,11	2,22	0,002013	RNA5SP295
17121598	2,49	1,34	2,22	0,002171	CCDC144A; CCDC144B; CCDC144CP; USP32P2; RP11-219A15.1
16782078	6,33	5,18	2,22	0,004	TRAJ23
16997316	3,6	2,45	2,22	0,0129	COL4A3BP
16912138	3,04	1,89	2,22	0,047332	RNU6-1257P
16662744	4	2,86	2,21	0,001773	NDUFS5; RPL10
16893697	4,26	3,12	2,21	0,004563	LOC728323; AC093642.5
16977340	4,25	3,1	2,21	0,006812	HNRNPD
16715053	4,28	3,13	2,21	0,010729	RNU6-571P
16837065	3,76	2,62	2,21	0,021517	CEP95
16809403	3,79	2,65	2,2	0,000438	MYO5C
16705399	4,13	3	2,2	0,003817	CCAR1
16662755	4,3	3,16	2,2	0,01443	MACF1
17086634	4	2,87	2,2	0,033239	CKS2
16837004	4,49	3,35	2,2	0,039471	DDX42
16878585	6,87	5,74	2,19	0,000527	SNORD53
16789303	2,77	1,63	2,19	0,00071	RNU4-68P
17058460	3,99	2,86	2,19	0,000961	BAZ1B
16669454	7,01	5,88	2,19	0,002876	EMBP1
16856257	4,83	3,7	2,19	0,004743	PTBP1; MIR4745
17013283	4,19	3,06	2,19	0,007234	UTRN
16788691	2,46	1,33	2,19	0,007408	SNORD114-25
17021452	3,99	2,86	2,19	0,032223	RARS2
16706818	2,96	1,84	2,18	0,000193	RNU6-325P

16946258	4,1	2,97	2,18	0,001249	RNU6-736P
17071257	4,47	3,34	2,18	0,003523	RNU6-703P
17113744	3,67	2,55	2,18	0,020089	CUL4B
17075731	4,15	3,03	2,18	0,020259	CLU
17119872	4,73	3,61	2,17	0,000466	LOC101926980; LOC100287934; LOC101930657; RP11-206L10.9; SEPT7P2; SEPT7P9; LOC645513; RP11-33B1.1
16976653	5,18	4,06	2,17	0,000681	RNU6-784P
16668601	3	1,88	2,17	0,002465	RNA5SP54
16723468	4,32	3,2	2,17	0,024558	CAPRIN1
16949907	2,53	1,41	2,17	0,030935	LINC00969; SDHAP2
17062971	3	1,89	2,16	0,000266	RNU6-1010P
17094432	4,07	2,96	2,16	0,003943	RNA5SP283; RNA5SP284; LINC00537; RNA5SP519
17084363	6,16	5,04	2,16	0,006204	ANXA2P2
17044568	3,94	2,84	2,16	0,014232	TAX1BP1
16959575	2,98	1,87	2,16	0,014457	RNU6-1284P
16798250	4,3	3,19	2,16	0,018428	IPW; SNORD107; PWARSN; SNORD116-4; SNORD116-22; SNORD115-7; SNORD115-13; SNORD115-26; SNORD116-28; LOC101930404; SNRPN; SNHG14
17050002	3,81	2,7	2,16	0,027838	KMT2E
16983159	3,26	2,15	2,16	0,030864	RNA5SP177
16824825	6,38	5,27	2,16	0,031033	NPIP5; NPIP3; NPIP4; LOC613037; NPIPA5; LOC101929910; LOC101060275; NPIPB11; NPIPB8; NPIPB9; RP11-347C12.1; RP11-231C14.4
16852568	7,04	5,92	2,16	0,033808	RNU6-742P
16692452	4,85	3,75	2,15	0,000407	NBPF26; NBPF14
16737200	3,76	2,66	2,15	0,001124	CD59
16797130	3,27	2,16	2,15	0,002217	RNU6-684P
16795987	2,77	1,66	2,15	0,002271	TRIP11
16670250	6,12	5,01	2,15	0,007391	NBPF15; NBPF8; NBPF11; NBPF12; NBPF14; NBPF9; NBPF10; NBPF26; NBPF1; NBPF20; NBPF25P; LOC102724250; NBPF23; RP11-458D21.5
17002237	5,07	3,97	2,15	0,009634	AC008694.3
16712605	5,35	4,24	2,15	0,011662	RNU6-632P
17081211	2,75	1,65	2,15	0,021244	RNU6-1255P
16974873	3,92	2,82	2,15	0,023174	DHX15
17116671	2,96	1,86	2,14	0,000058	RNU6-1314P
17121348	5,6	4,5	2,14	0,000551	PKD1P5; LOC399491; RP11-958N24.2; PKD1; PKD1P1; LOC101060429; LOC101930075; NPIPA1; NPIPA3; NPIPA2; NPIPA7; NPIPA8; NPIPA5; RP11-1212A22.1; RP11-958N24.1; AC138969.4
16938935	3,84	2,74	2,14	0,004591	GOLGA4
16816406	5,36	4,27	2,14	0,008461	RNU6-1340P
16956283	5,1	4	2,14	0,010573	RNU6-1270P
17124276	4,18	3,09	2,13	0,004329	RP11-554D15.3
16745507	2,73	1,64	2,13	0,015481	MIRLET7A2
17011832	5,35	4,27	2,12	0,000265	MARCKS
16912453	3,13	2,04	2,12	0,000296	RNA5SP481
16888610	4,78	3,69	2,12	0,000325	COL3A1
16993506	2,87	1,79	2,12	0,001384	CNOT6
17068582	3,46	2,38	2,12	0,002133	HOOK3
17105179	4,68	3,59	2,12	0,043965	MIR1321

16940839	3,97	2,89	2,11	0,000217	RBM6
16870854	2,46	1,39	2,11	0,00125	ZNF676
17048246	3,14	2,06	2,11	0,001652	AKAP9
16812940	4,69	3,61	2,11	0,002183	RNU6-185P
16746640	3,75	2,67	2,11	0,003231	ERC1
16881512	2,7	1,63	2,11	0,007472	RNU6-111P
16808334	4,29	3,21	2,11	0,01594	PPIP5K1; AC011330.5
17115505	4,68	3,6	2,11	0,021532	FLNA
16763540	4,22	3,14	2,11	0,040099	SLC38A2
16850337	4,01	2,94	2,11	0,044995	NSF; NSFP1; LOC101930324
16968719	5,81	4,74	2,1	0,002605	RNU6-818P
16950171	3,27	2,19	2,1	0,005314	RNU6-621P
16710481	4,43	3,36	2,1	0,006062	DOCK1
16955442	3,5	2,43	2,1	0,006902	ARF4
16687851	3,65	2,58	2,1	0,010434	MYSM1
16782010	8,03	6,96	2,1	0,011349	TRAJ59
17015987	4	2,93	2,1	0,012826	DEK
17121360	4,35	3,28	2,09	0,001097	RP11-1166P10.1; ARHGAP23; ARHGAP23P1
17051672	3,38	2,32	2,09	0,002672	MKLN1
17053019	4,06	3	2,09	0,005066	CUL1
17125970	4,46	3,4	2,09	0,005358	MIR4632
17048536	5,09	4,03	2,09	0,005512	RNU6-1328P
16897026	4,77	3,71	2,09	0,010686	ZFP36L2
16886564	3,8	2,74	2,09	0,012529	FMNL2
16902931	4,69	3,63	2,09	0,013111	RNU6-175P
17004612	4,23	3,17	2,09	0,020446	DSP
16870782	2,65	1,59	2,09	0,021167	ZNF737
17120704	2,93	1,87	2,08	0,000119	LOC729222; RP11-582E3.4; PPFIBP1; ALK
16879239	4,07	3,01	2,08	0,000899	RNU6-951P
17125752	2,39	1,33	2,08	0,001182	LOC102723951; UBE2Q2P2; AC023274.4; AC007562.1
17119342	5,15	4,09	2,08	0,003009	RNU6-367P
16753895	4,38	3,32	2,08	0,007154	CPSF6
16858468	5,37	4,31	2,08	0,013123	PRKCSH
16714597	4,83	3,77	2,08	0,021452	CCDC6
16736847	3,79	2,73	2,08	0,028879	LIN7C
17102129	3,94	2,88	2,08	0,045287	SAT1
16747394	5,33	4,28	2,07	0,000937	PTMS
16978976	3,97	2,92	2,07	0,007682	CFI
17021004	4,06	3	2,07	0,019916	PHIP
16685076	3,79	2,74	2,07	0,043847	SFPQ
16701398	4,65	3,61	2,06	0,000601	SMYD3-IT1
16786058	2,52	1,48	2,06	0,003104	SNORD56B
17050736	4,33	3,29	2,06	0,005387	LSM8; NAA38
17117046	5,46	4,41	2,06	0,00584	RNU1-95P; RNU1-128P

16732674	3,14	2,1	2,06	0,006848	RNU4ATAC5P
16997374	6,14	5,1	2,06	0,031191	RNA5SP186
17125788	5,79	4,74	2,06	0,033354	HIST1H2BN; HIST1H2AK
16953199	4,2	3,16	2,06	0,034562	SMARCC1
16896279	3,41	2,37	2,06	0,045589	DPY30
16747594	4,7	3,67	2,05	0,000002	ATN1
17000233	3,35	2,31	2,05	0,001948	RNA5SP193
17122448	2,76	1,73	2,05	0,004724	ANKRD36B; ANKRD36; ANKRD36BP2
17003401	4,09	3,06	2,05	0,021142	LOC202181
16966895	3,12	2,09	2,04	0,00077	RNU6-746P
16762489	4,05	3,02	2,04	0,001103	ITPR2
16722278	5,06	4,03	2,04	0,001512	SPON1
16927749	2,58	1,55	2,04	0,004999	IGLV1-44
16661567	3,92	2,9	2,04	0,005465	PHACTR4
16877836	3,31	2,28	2,04	0,007374	RAB10
16899560	10,29	9,27	2,04	0,022412	RNA5SP99
16788685	3,31	2,28	2,04	0,024528	SNORD114-22
16657489	3,92	2,9	2,04	0,024565	RP11-206L10.4
16811936	4,1	3,08	2,03	0,001035	SCAPER
16757979	4,22	3,2	2,03	0,002876	UNC119B
16750325	3,91	2,88	2,03	0,029593	ANO6
16730965	6,15	5,12	2,03	0,03096	RNU6-654P
16869293	5,21	4,2	2,02	0,002487	C19orf43
16856497	4,76	3,74	2,02	0,002855	CIRBP
16853377	3,34	2,33	2,02	0,011493	THOC1
16881153	4,18	3,16	2,02	0,012365	PCBP1
16884062	2,86	1,84	2,02	0,013235	GCC2
16824193	5,74	4,72	2,02	0,017749	NPIPA3; NPIPA2; NPIPA5; NPIPA1; NPIPA7; LOC102724993; NPIPA8; PKD1P1; NPIPP1; AC138969.4; RP11-1212A22.4; LOC399491; LOC101930075
16788749	4,13	3,11	2,02	0,021338	MIR1185-1
16798210	4,05	3,04	2,01	0,001247	IPW; SNORD107; PWARN; SNORD116-4; SNORD116-22; SNORD115-7; SNORD115-13; SNORD115-26; SNORD116-28; LOC101930404; SNRPN; SNHG14
17119028	6,26	5,26	2,01	0,001255	RNA5SP415
16860168	2,89	1,88	2,01	0,001589	ZNF431
17125822	5,32	4,32	2,01	0,012068	CACNG8; MIR935
17067326	3,98	4,99	-2,01	0,000009	MIR3622A
16874187	4,2	5,21	-2,01	0,004911	CGB; CGB5; CGB8; CGB1
16913848	2,8	3,81	-2,01	0,008601	RN7SKP100
17060989	4,34	5,34	-2,01	0,013501	RASA4; RASA4B; RASA4CP; LOC102725198; RP11-514P8.6; RP11-514P8.8; RASA4DP
17119954	3,01	4,02	-2,02	0,002515	FLJ43315; LOC442028; LOC101927088; LOC101927527; LOC101929518; AC097374.2
17120280	2,26	3,28	-2,02	0,00888	LOC101927345; LOC101059949; LOC101060632
16688466	3,29	4,31	-2,02	0,016783	RP11-99H8.1
16989448	2,53	3,55	-2,02	0,022223	CTB-138E5.1
16769596	2,79	3,81	-2,02	0,045527	RNU7-94P
17075757	3,92	4,94	-2,03	0,002583	MIR3622B; MIR3622A
16688792	1,51	2,53	-2,03	0,002683	RNA5SP22

17117609	2.25	3.27	-2.03	0.00427	KRTAP21-1; LOC101927016; LOC647264
16724751	2.17	3.19	-2.03	0.026509	OR5L2
16927756	2.03	3.06	-2.03	0.029231	IGLV1-40; IGLC1; IGLV
16818590	3.19	4.21	-2.04	0.000935	RNASSP420
16723100	2.32	3.35	-2.04	0.002126	MIR610
16953592	3.37	4.4	-2.04	0.008518	TMEM89
17044298	3.27	4.3	-2.04	0.01918	RNU7-143P
16946532	3.94	4.98	-2.04	0.024127	RNU7-47P
17080721	4.35	5.38	-2.04	0.034037	MIR4663
17125790	3.71	4.74	-2.05	0.001134	RP11-432M8.12
17123102	2.13	3.17	-2.05	0.004372	FAM230C; FAM230B; KB-1183D5.13; LOC102723857
17115033	4.22	5.26	-2.05	0.005227	MIR105-1
17123810	3.29	4.33	-2.05	0.021034	LINC01088; RP11-438E5.1
16805287	5.44	6.48	-2.05	0.026539	MIR3175
17118970	5.44	6.48	-2.05	0.026539	MIR3175
16816138	2.97	4	-2.05	0.043345	MIR3670-1; MIR3670-2
16991635	2.04	3.09	-2.06	0.000198	CTC-436K13.2
17125264	4.28	5.32	-2.06	0.01532	LOC101929959
16842515	5.1	6.14	-2.06	0.015953	MIR4522
16843602	3.7	4.75	-2.07	0.026541	CCL3L3; CCL3L1
16657440	3.16	4.21	-2.08	0.008823	MIR1302-2; MIR1302-9; MIR1302-10; MIR1302-11; RP11-34P13.3; XXyac-YRM2039.3; AC140725.4; AC008993.3
17112191	1.72	2.78	-2.09	0.000235	MIR545
16839692	2.18	3.24	-2.09	0.002477	OR1E2
17097811	3.09	4.15	-2.09	0.009995	MIR147A
17122708	3.11	4.17	-2.09	0.015777	FAM182A; FAM182B; FAM27C; FAM27B; LOC101928654; RP11-368M16.3; RP11-548K12.12; AC144838.3
16841481	2.56	3.63	-2.09	0.049041	MIR1269B
17103620	2.94	4.01	-2.1	0.009888	GAGE12C; GAGE12H; GAGE12E; GAGE12D; GAGE12B; GAGE2A; GAGE8; GAGE1; GAGE12F; GAGE12J; GAGE2D; GAGE12G; GAGE2B; GAGE13; GAGE2E; GAGE2C; GAGE4; GAGE5; GAGE6; GAGE12I; GAGE7; GAGE10; GAGE3
17025066	2.43	3.52	-2.12	0.000078	RNU6-824P
16989804	2.38	3.47	-2.12	0.005306	RNASSP194
17097600	3.81	4.9	-2.13	0.002124	RP11-9M16.2
17085991	2.34	3.43	-2.13	0.007517	RNU6-1228P
16802160	2.84	3.93	-2.13	0.009073	MIR4311
17125866	4.22	5.32	-2.14	0.004344	MIR3135A
16926386	2.53	3.63	-2.14	0.036307	KRTAP10-2
17067133	3.7	4.81	-2.15	0.004977	RNASSP258
17103661	2.92	4.02	-2.15	0.008584	GAGE12F; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE12E; GAGE12D; GAGE12B; GAGE7; GAGE12I; GAGE2A; GAGE1; GAGE12J; GAGE2D; GAGE2B; GAGE13; GAGE2E; GAGE2C; GAGE4; GAGE5; GAGE8; GAGE6; GAGE3
17123854	2.66	3.77	-2.15	0.008763	RP11-125O18.1
17121434	4.7	5.81	-2.15	0.016723	LOC388210; LOC400499; CTD-3088G3.8
16902141	1.55	2.66	-2.16	0.000821	RNU7-190P
16697217	3.84	4.96	-2.17	0.025505	RNU7-13P; RNU7-41P
17125378	2.09	3.21	-2.18	0.001798	LOC101928381; RP11-15J10.8; RP11-250H24.6; RP11-460E7.9; RP11-350D23.4
17103647	2.83	3.95	-2.18	0.012063	GAGE12F; GAGE12J; GAGE2D; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE2B; GAGE13; GAGE12E; GAGE12D; GAGE2E; GAGE2A; GAGE2C; GAGE4; GAGE12I; GAGE8; GAGE12B;

					GAGE5; GAGE6; GAGE7; GAGE1; GAGE3; GAGE10
16781354	2,62	3,75	-2,19	0,0003	OR11H12; OR11H2
17126014	3,32	4,44	-2,19	0,000977	MIR3135B
16935724	1,59	2,72	-2,19	0,00178	PACSIN2
16838696	3,65	4,79	-2,19	0,011169	MIR4730
16927856	3,21	4,34	-2,19	0,018951	IGLJ3
16683237	2,3	3,43	-2,19	0,047347	MIR4253
16864565	3,99	5,13	-2,2	0,018259	SNAR-F
17001256	2,53	3,68	-2,21	0,000687	PPP2R2B; RNA5SP196
16951140	2,27	3,41	-2,21	0,004163	MIR548I2; MIR548I1; MIR548I3
16946511	4,05	5,2	-2,22	0,009418	RN7SKP25
16658097	4,26	5,41	-2,22	0,011247	RP3-395M20.7
17117586	3,44	4,6	-2,22	0,03483	LOC400590; LOC646021
17048876	2,89	4,05	-2,23	0,008859	ARPC1A
16900166	4,23	5,39	-2,24	0,005211	IGKV1D-33; IGKV1-33; IGKC; IGKV1D-17; IGKV1-27; IGKV1D-32; IGKV1-32; IGKV1D-27
17042431	3,86	5,03	-2,25	0,003751	MIR3135B
16900116	3,76	4,93	-2,25	0,035831	IGKV1-9
17082416	5,63	6,8	-2,25	0,048782	MIR661
17020960	2,45	3,63	-2,26	0,002292	RNU6-155P
16832307	2,77	3,95	-2,26	0,004697	FAM27L
17126294	1,93	3,11	-2,26	0,017607	LOC101930441
16679591	4,82	6	-2,27	0,001634	RNU6-999P
16881242	3,55	4,73	-2,27	0,008038	OR7E91P
16735727	1,22	2,4	-2,27	0,04013	RNU7-28P
16772535	3,86	5,04	-2,27	0,042647	RP11-495K9.9
17026034	2,18	3,36	-2,28	0,004904	XX-C2158C6.3
16664579	2,27	3,46	-2,28	0,00831	MIR4421
16950517	2,04	3,23	-2,28	0,024436	LOC101930660; RP11-380O24.1
16882720	4,96	6,16	-2,29	0,035354	IGKV1D-39; IGKV1-39; IGKC; IGKV1-17
16792454	2,66	3,86	-2,31	0,015981	MIR548Y
16704237	2,32	3,53	-2,31	0,036691	RNU7-193P
17123020	2,99	4,21	-2,33	0,004637	LA16c-83F12.6
16923670	2,44	3,66	-2,33	0,009581	KRTAP12-3
17063814	4,44	5,66	-2,33	0,024846	TRBV11-1
16863968	4,45	5,67	-2,34	0,00351	SNAR-G1
16691766	2,18	3,41	-2,34	0,004585	ANKRD20A12P
17103750	3,67	4,9	-2,35	0,00098	MIR500B
16931563	4,05	5,29	-2,36	0,019004	ALG12; CITF22-1A6.3
17125350	2,73	3,98	-2,37	0,002764	LOC101928381; RP11-15J10.8; RP11-460E7.9; RP11-350D23.4
17052622	4,34	5,58	-2,37	0,003593	TRBV23-1
16882726	4,21	5,46	-2,37	0,006272	IGKV1D-33; IGKV1-33; IGKV1D-17; IGKV1-27; IGKV1D-32; IGKV1-32; IGKV1D-27; IGKC
16974224	2,51	3,76	-2,39	0,004858	MIR548I2; MIR548I1; MIR548I3
17095564	3,54	4,8	-2,39	0,011111	MIR4289
17068365	2,03	3,29	-2,4	0,000424	RNU6-356P

17119780	3.52	4.78	-2.4	0.003719	MIR1587
17119240	2.73	3.99	-2.4	0.012358	MIR4267
16841689	2.37	3.64	-2.41	0.007974	AC005324.7
17121144	2.78	4.07	-2.43	0.008984	LOC100996379; LOC102723534
16858208	4.54	5.84	-2.46	0.030406	MIR1238
16797516	4.04	5.35	-2.47	0.02082	EPC1; IGHV3-33
17099699	4.81	6.11	-2.47	0.025492	MIR3689B
17051157	3.17	4.49	-2.49	0.037803	RNU7-27P
16756158	5.34	6.66	-2.5	0.001948	RNA5SP370
16900148	2.02	3.36	-2.52	0.005183	IGKV2-24
16782682	5.16	6.49	-2.52	0.006814	RNA5SP383
17025664	4.01	5.35	-2.53	0.030117	MIR1913
17094237	2.2	3.54	-2.54	0.001756	RP11-216M21.7
16902844	3.96	5.31	-2.54	0.012575	AC140481.4
16927578	1.62	2.97	-2.55	0.000189	KB-1183D5.14
16728986	2.39	3.74	-2.55	0.00312	MIR548AL
17119090	3.7	5.06	-2.56	0.003864	MIR4730
17117641	5.02	6.38	-2.56	0.015324	LOC101929634; RP11-982M15.8
16805822	2.56	3.93	-2.57	0.004786	IGHV1OR15-9
16822256	4.54	5.9	-2.57	0.015492	LOC101929008; LOC101929038; LOC101930130; LOC101930567; FAM157C; LOC729737; LOC101928706; LOC101929823; LOC388572; LOC101060494; LOC101926894; LOC101930127; LOC100134822; RP4-669L17.10; RP11-304M2.2; LOC101929819; LOC441124; RP11-34P13.14; RP11-504P24.8
16670248	2.61	3.99	-2.59	0.000455	PPIAL4B; PPIAL4C; PPIAL4E
16932732	2.77	4.15	-2.59	0.003089	KB-1183D5.14; KB-1592A4.14; USP41
16874510	5.13	6.51	-2.6	0.026204	SNAR-B2; SNAR-B1
17125254	1.98	3.37	-2.61	0.002028	LOC101929959; BMS1P20
17120314	2.11	3.51	-2.64	0.003431	LOC102725076; FLJ43315
17001132	3.35	4.76	-2.65	0.007176	RNU7-156P
17118050	4.56	5.97	-2.66	0.00919	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
16669501	1.7	3.12	-2.66	0.045811	LINC00328
17121262	1.93	3.36	-2.68	0.001974	GOLGA8J
16974242	1.8	3.23	-2.71	0.016867	RNA5SP153
16882723	3.88	5.32	-2.72	0.003267	IGKV1-37; IGKV1D-37
16680962	3.8	5.24	-2.72	0.004621	MIR4689
17063803	3.44	4.9	-2.74	0.026201	TRBV6-5; IL23A
17027679	3.6	5.06	-2.75	0.000743	DPCR1
17118086	4.55	6.02	-2.75	0.00774	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
16692448	2.66	4.12	-2.76	0.000404	PPIAL4B
17074342	3.4	4.87	-2.76	0.00945	LINC00965
16814183	4.97	6.45	-2.78	0.024712	ARHGDI3
16674269	3.38	4.86	-2.8	0.000194	TEX35
16692553	7.01	8.5	-2.8	0.003322	NBPF20
17099695	4.99	6.47	-2.8	0.02963	MIR3689A
17117969	3.87	5.35	-2.8	0.036922	LOC100652901

17118088	4,45	5,94	-2,81	0,006508	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
17084704	2,99	4,49	-2,82	0,000149	RP11-331F9.3
17118054	4,98	6,48	-2,82	0,00387	RP11-432M8.12
17100951	2,78	4,29	-2,84	0,019364	DUX4; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC100288289
17120310	1,58	3,1	-2,86	0,000773	LOC102725076; LOC102723382
16882815	3,7	5,22	-2,87	0,001856	IGKV1OR-3; IGKV1OR2-2; IGKV1OR-2; IGKV1OR-1; AC128677.4; CH17-132F21.1
16767979	1,71	3,23	-2,87	0,007936	RNU7-106P
17034705	3,77	5,3	-2,89	0,020137	HLA-DRB4
16942552	3,65	5,19	-2,9	0,001764	RNA5SP135
16842832	5	6,53	-2,9	0,003252	MIR4732; MIR144; MIR451A; MIR451B; RP11-20B24.2
17119324	4,95	6,49	-2,91	0,025049	MIR3619
17064542	6,63	8,17	-2,91	0,034871	MIR3907
16927283	2,59	4,14	-2,94	0,001064	KB-1183D5.14; KB-1592A4.14; USP41
16696361	2,24	3,8	-2,95	0,021315	RNU6-773P
16900162	3,54	5,11	-2,98	0,009019	IGKV2-30; IGKV2D-30; IGKC; IGKV2D-28; IGKV2-28; IGKV2-4
16910070	2,57	4,15	-2,99	0,013502	MIR4441
17079513	2,24	3,83	-3,01	0,001617	RNU6-748P
16775234	3,41	5,01	-3,04	0,02359	LOC647264; LOC101927016
16826077	1,57	3,18	-3,05	0,000292	LOC102725458
17020748	5,01	6,63	-3,07	0,000268	RP11-257K9.8
16743554	4,78	6,4	-3,09	0,000085	RNA5SP346
16798553	1,55	3,18	-3,09	0,000257	MIR4509-1; MIR4509-2; MIR4509-3
16685253	2,79	4,42	-3,09	0,000277	RNU4-27P
17078751	3,27	4,91	-3,1	0,010972	REXO1L1P; LOC100288562; REXO1L2P
17012839	1,98	3,64	-3,16	0,000733	MIR548A2
16900136	3,01	4,67	-3,16	0,002817	IGKV1-17
16679892	2,74	4,41	-3,18	0,01666	LOC101928670; RP11-206L10.3; RP11-34P13.13; LOC101928706; LOC101929823; AC138035.2
16711020	1,87	3,54	-3,19	0,005235	RP11-631M21.1; AP005530.2
16942729	3,24	4,93	-3,22	0,026792	DUX4L26; DUX4L9; RP11-413E6.7
16921464	2,91	4,63	-3,3	0,003472	LOC644450
16691969	2,3	4,06	-3,37	0,001589	RP4-791M13.3
17120158	4,46	6,23	-3,42	0,035593	ANKRD20A9P; LOC102723382; LOC102723891
16918169	2,22	4,06	-3,59	0,000099	RP4-760C5.3
16704473	2,21	4,06	-3,6	0,0004	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
16951644	6,41	8,26	-3,61	0,02966	MIR4442; TOP2B
17102650	2,16	4,02	-3,64	0,000398	MIR1587
17120308	2,32	4,19	-3,64	0,001553	ANKRD20A12P
16981077	4,59	6,46	-3,66	0,011291	MIR4454
16900156	3,59	5,49	-3,74	0,008051	IGKV2D-28; IGKV2-28; IGKV2-30; IGKV2D-30; IGKC; IGKV2-4; IGKV2OR22-4
16704438	2,16	4,08	-3,77	0,000586	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
16973278	4,76	6,68	-3,78	0,044989	DUX4; DBET; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; LOC100288289; DUX4L4; DUX4L26; DUX4L24; DUX4L9; DUX4L13; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; RP11-413E6.7; DUXAP9; DUX4L11

17082935	2,64	4,62	-3,93	0,009775	ZNF250
16850286	5,6	7,58	-3,93	0,013669	MIR4525
16985748	2,06	4,08	-4,05	0,005534	LOC441081; LOC102725466; LOC166994
16973271	4,96	6,97	-4,05	0,022935	DBET; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; LOC100288289; DUX4L4; DUX4; DUX4L24; DUX4L13; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; DUX4L11
16849744	2,69	4,79	-4,29	0,001968	MIR1250
16702759	4,54	6,64	-4,31	0,000249	RNU2-18P
16704842	2,03	4,14	-4,34	0,000452	RNA5SP310; RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312
16882740	2,48	4,61	-4,38	0,003561	IGKV2D-28; IGKV2-28; IGKV2D-30; IGKC; IGKV2-30; IGKV2-4; IGKV2OR22-4
16873645	4,81	6,98	-4,5	0,036398	SNAR-C2; SNAR-C4; SNAR-C5; SNAR-C1; SNAR-C3; SNAR-B2; SNAR-B1; SNAR-E; MCAM
16899476	2,28	4,47	-4,55	0,009779	SNAR-H
16973283	4,86	7,04	-4,55	0,012083	DBET; DUX4; DUX4L24; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; DUX4L13; LOC100288289; DUX4L4; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; DUX4L11
17070478	4,62	6,89	-4,82	0,02938	REXO1L2P; LOC101929601; LOC101930111; REXO1L1P; LOC100288562; LOC101929627; REXO1L12P; REXO1L9P; REXO1L8P; REXO1L3P; REXO1L1; REXO1L10P
17081297	4,59	6,87	-4,87	0,000542	OC90; RP11-240B13.2
16816018	2,28	4,59	-4,94	0,006952	MIR365A
17070480	4,17	6,73	-5,92	0,015964	LOC101929601; LOC101930111; REXO1L1P; LOC100288562; LOC101929627; REXO1L12P; REXO1L9P; REXO1L8P; REXO1L2P; REXO1L3P; REXO1L1; REXO1L10P
16965027	3,87	6,48	-6,13	0,002181	USP17L5
17100810	3,35	6	-6,26	0,007345	LOC100507412
17121898	2,24	4,92	-6,4	0,00064	LOC101929826
17103653	2,08	4,92	-7,2	0,000483	GAGE12F; GAGE12J; GAGE2D; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE13; GAGE10; GAGE12E; GAGE12D; GAGE2E; GAGE2A; GAGE2C; GAGE5; GAGE6; GAGE12I; GAGE8; GAGE12B; GAGE4; GAGE7; GAGE3; GAGE2B; LOC102724400; PPP1R3F
16965015	3,55	6,46	-7,5	0,000656	USP17L15; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L6P; USP17L10; USP17L13; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23
16965007	3,54	6,45	-7,51	0,000578	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L13; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.7; RP11-351I21.6
16705437	2,2	5,14	-7,66	0,006119	MIR1254-1
16965000	3,73	6,71	-7,91	0,000543	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965011	3,67	6,66	-7,97	0,000715	USP17L15; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L6P; USP17L10; USP17L13; USP17L14P; USP17L17; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P
16965013	3,76	6,76	-8,03	0,000552	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965017	3,72	6,75	-8,17	0,000513	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965039	3,48	6,54	-8,3	0,000496	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L13; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965009	3,53	6,64	-8,69	0,000574	USP17L15; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L6P; USP17L10; USP17L13; USP17L14P; USP17L16P; USP17L17; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965004	2,13	5,31	-9,07	0,000233	USP17L15; USP17L13
17100655	6,01	9,2	-9,17	0,024255	MT-TW

16823889	3,35	6,77	-10,76	0,000547	MIR548H2
16950539	4,3	7,72	-10,77	0,003734	LOC101930660; RP11-380O24.1
17094496	3,32	6,83	-11,36	0,002175	MIR1299
16985065	5,96	9,59	-12,31	0,023225	FKSG49
16737017	4,5	8,36	-14,56	0,002801	DCDC1; DCDC5
17123694	2,46	6,43	-15,73	0,000606	ZNF595
16850428	2,11	7,05	-30,78	0,001124	ROCK1P1

Supplementary Table 3. Significantly differentially expressed genes between malignant cells in the ascites and peritoneal tumoral implant.

Transcript Cluster ID	Malignant cells in the ascite Bi-weight Avg Signal (log2)	Peritoneal Tumour Implant Bi-weight Avg Signal (log2)	Fold Change (linear) (B vs. C)	ANOVA p-value (B vs. C)	Gene Symbol
17118836	1,32	9,69	-330,74	0,020008	SNORD27; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17118726	1,87	9,39	-182,77	0,015184	SNORD44; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
16766281	2,16	9,56	-168,89	0,010125	SNORD59A
17057422	1,53	8,92	-168,11	0,013201	SNORA9; SNHG15; LOC101928927
16885189	3	10,35	-162,67	0,015912	RNU4ATAC
17118718	2,29	9,62	-160,2	0,006748	SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17079434	3,9	11,19	-156,7	0,008481	SNORA72; RPL30
17119704	2,62	9,56	-122,96	0,001382	SNORD87; SNHG6
16826966	3,03	9,87	-114,61	0,023325	SNORA46
17119356	1,35	8,14	-110,99	0,000776	SNORA81; EIF4A2; SNORA63; SNORD2; SNORA4; MIR1248
17119262	2,19	8,94	-107,7	0,006961	SNORD56; NOP56; SNORD57; SNORD86; SNORD110; MIR1292
16734524	4,52	11,03	-90,78	0,006355	SNORA54
16837063	2,03	8,46	-86,3	0,006928	SNORA76C; RP11-329L6.1
16760514	4,04	10,39	-81,33	0,000148	SCARNA11
16788659	2,37	8,63	-76,38	0,000005	SNORD114-12
16700713	3,52	9,71	-73,42	0,008991	SNORA14B
17118854	3,48	9,65	-71,88	0,006393	SNORD5; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; MIR1304
17026087	2,91	9,02	-69,06	0,02329	SNORD32B
17027281	2,91	9,02	-69,06	0,02329	SNORD32B
17030127	2,91	9,02	-69,06	0,02329	SNORD32B
17032817	2,91	9,02	-69,06	0,02329	SNORD32B
17035002	2,91	9,02	-69,06	0,02329	SNORD32B
17037609	2,91	9,02	-69,06	0,02329	SNORD32B
16828108	3,14	9,24	-68,63	0,017596	SNORD71
16919223	2,29	8,37	-67,8	0,017103	SNORA71B; SNHG17

16721732	3,29	9,31	-64,74	0,007335	SNORA45B
17119488	4,67	10,59	-60,28	0,026511	SNORA20
17118830	4,69	10,56	-58,32	0,001348	SNORD30; SNORD29; SNORD31; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17119144	3,5	9,36	-58,14	0,032381	SNORD32A; RPL13A; SNORD35A; SNORD34; SNORD33
16837061	1,53	7,37	-57,53	0,010077	SNORD104
17118826	2,75	8,58	-56,82	0,010557	SNORD22; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNHG1
16832031	5,4	11,13	-53,16	0,011019	SNORD3B-1; SNORD3B-2; SNORD3A; SNORD3C; SNORD3D; RP11-160E2.6
16832005	5,4	11,11	-52,56	0,011199	SNORD3B-1; SNORD3B-2; SNORD3A; SNORD3D; RP11- 160E2.6; SNORD3C
16842215	5,4	11,11	-52,56	0,011199	SNORD3B-1; SNORD3B-2; SNORD3A; SNORD3D; RP11- 160E2.6; SNORD3C
17119728	1,68	7,3	-49,03	0,010052	SNORD36B; RPL7A; SNORD36A; SNORD24
16909520	6,21	11,79	-47,9	0,00616	SNORA75
17119498	2,91	8,47	-47,36	0,002773	SNORD52; C6orf48
17119536	2,91	8,47	-47,36	0,002773	SNORD52; C6orf48
17119598	2,91	8,47	-47,36	0,002773	SNORD52; C6orf48
16989863	4,08	9,64	-47,26	0,002865	SNORA74A
17119388	3,27	8,8	-46,16	0,001137	RPS3A; SNORD73A
17119258	2,01	7,5	-45,14	0,038081	SNORD110; NOP56; SNORD57; SNORD86; MIR1292
17000520	4,29	9,77	-44,53	0,011445	SNORD63
16717520	2,91	8,38	-44,28	0,043013	SNORA12
17118856	3,71	9,17	-44,14	0,013335	SNORA18; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
16830573	5,86	11,32	-43,92	0,003643	SNORA48; EIF4A1; SNORA67; SNORD10
17012709	5,54	11	-43,85	0,000202	SNORD100; SNORA33
17119148	1,46	6,91	-43,67	0,010531	SNORD34; RPL13A; SNORD35A; SNORD33; SNORD32A
17098504	4,88	10,31	-43,23	0,002949	SNORA65
17118720	3,08	8,5	-42,78	0,02338	SNORD47; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17118730	4,86	10,27	-42,38	0,021078	SNORD76; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD77
16837226	5,89	11,29	-42	0,005972	SNORA38B
17012711	5,1	10,46	-40,86	0,013401	SNORA33
16823046	1,29	6,64	-40,63	0,027325	SNORD60
17006066	3,39	8,72	-40,18	0,02383	SNORD32B
17047459	3,42	8,73	-39,8	0,001009	SNORA14A
16966721	2,23	7,5	-38,64	0,001606	SNORA26
17119224	2,83	8,05	-37,24	0,002465	SNORA41; EEF1B2
17118850	1,71	6,93	-37,2	0,008291	SNORA32; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORD5; MIR1304
16889109	1,84	6,98	-35,49	0,002934	SNORD2; EIF4A2; SNORA63; SNORA4; SNORA81; MIR1248

17119464	2,61	7,75	-35,35	0,000423	SNORD52; C6orf48
16842237	5,32	10,42	-34,35	0,004833	SNORD3C
16992465	3,05	8,15	-34,3	0,028754	SNORA74B
16914745	1,89	6,99	-34,21	0,006431	SNORD12
17119732	3,76	8,82	-33,47	0,014907	SNORD36C; RPL7A; SNORD36B; SNORD36A; SNORD24
16859655	4,48	9,47	-31,91	0,012357	SNORA68; RPL18A
17118780	7,54	12,5	-31,12	0,016162	SNORA45A; RPL27A
16725908	5,38	10,32	-30,71	0,005378	SNORA57; METTL12
16778713	6,06	10,97	-30	0,037032	TPT1; LOC101928826
17118852	4,55	9,44	-29,72	0,017126	SNORA1; TAFID; SNORA8; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
17118838	4,68	9,57	-29,55	0,003893	SNORD26; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD25; SNORD22; SNHG1
16919229	4,28	9,15	-29,4	0,001546	SNORA71D
17118654	2,5	7,34	-28,76	0,000431	SNORD38B; RPS8; SNORD55
16759469	5,12	9,95	-28,55	0,00525	SNORA49
16745561	2,44	7,11	-25,48	0,01808	SNORD14E
16694359	5,83	10,5	-25,35	0,003774	SCARNA4
16909524	5,31	9,97	-25,32	0,038012	SNORD82
16729126	4,94	9,59	-25,14	0,016382	SNORD15B
17119476	3,48	8,12	-24,82	0,01562	SNORD84; DDX39B
17119630	3,48	8,12	-24,82	0,01562	SNORD84; DDX39B
16869291	2,1	6,71	-24,43	0,00655	SNORD41
16788616	2,87	7,35	-22,33	0,000003	SNORD114-1
17119260	3,01	7,45	-21,73	0,002753	SNORA51
16721807	4,85	9,24	-20,99	0,045867	SNORA23
16958972	4,46	8,84	-20,76	0,01751	SNORA7B
16668109	3,34	7,67	-20,15	0,003219	SCARNA2
16763966	2,21	6,52	-19,88	0,008245	SNORA2A
17119150	3,17	7,41	-18,99	0,018199	SNORD35A; RPL13A; SNORD34; SNORD33; SNORD32A
16822892	3,69	7,93	-18,98	0,042575	SNORA64; RPS2
17118724	2,59	6,82	-18,77	0,015956	SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17118828	1,87	6,03	-17,82	0,006049	SNORD31; SNORD29; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17118832	5,63	9,74	-17,3	0,04552	SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17119702	1,67	5,76	-17,07	0,004784	SNORD54; RPS20
16789207	2,19	6,29	-17,06	0,001579	SNORA28
17017219	2,14	6,23	-17,02	0,033803	SNORD117
16696685	3,69	7,77	-16,98	0,000235	SCARNA3
16913572	6,42	10,49	-16,76	0,006715	SNORA60
17118666	1,86	5,91	-16,56	0,024058	SNORD45B; RABGGTB; SNORD45A; SNORD45C
17118774	1,82	5,82	-16,01	0,00073	SNORA19

16900800	1,96	5,91	-15,51	0,019197	RNU4-8P
16838101	3,82	7,77	-15,44	0,001356	SNORD1B
16661646	6,81	10,72	-14,95	0,00044	RNU11
17026760	2,87	6,77	-14,91	0,036901	SNORD117
17029076	2,87	6,77	-14,91	0,036901	SNORD117
17031845	2,87	6,77	-14,91	0,036901	SNORD117
17034317	2,87	6,77	-14,91	0,036901	SNORD117
17036565	2,87	6,77	-14,91	0,036901	SNORD117
17039358	2,87	6,77	-14,91	0,036901	SNORD117
17041857	2,87	6,77	-14,91	0,036901	SNORD117
17119068	3,35	7,24	-14,83	0,030029	SNORD42B; CEP164; RPL23A; SNORD42A
17119062	1,85	5,69	-14,41	0,015084	SNORD49A; LRRC75A-AS1; SNORD49B; SNORD65; C17orf76-AS1
16826968	3,49	7,33	-14,33	0,012108	SNORA76A
16788620	1,26	5,1	-14,29	0,000036	SNORD114-3
17119070	1,66	5,49	-14,21	0,010694	SNORD4A
17118860	2,78	6,59	-13,98	0,04386	SNORD14C; HSPA8; SNORD14D
16941691	6,9	10,7	-13,93	0,001583	SNORD69
17119482	3,57	7,28	-13,07	0,014796	SNORD50B; SNORD50A; SNHG5
17126190	4,39	8,09	-12,93	0,000943	SNORA17; SNHG7; SNORA43
17092710	4,9	8,54	-12,52	0,005857	SCARNA8
16961037	4,4	8,05	-12,49	0,032615	SCARNA7
17120598	6,31	9,95	-12,44	0,025274	MALAT1
17119056	4,03	7,66	-12,39	0,002745	SNORA67; LOC101928634; EIF4A1; SNORA48; SNORD10; RP11-186B7.4
16855340	3,59	7,22	-12,31	0,035926	SNORA37
17118818	5,84	9,46	-12,29	0,019304	SNORD97; EIF4G2
17118670	3,18	6,79	-12,16	0,045065	SNORD21; RPL5
16878583	2,94	6,51	-11,83	0,007913	SNORD92
16948967	4,5	8,04	-11,63	0,002934	SNORD66
17118690	4,62	8,15	-11,52	0,01934	SNORA61; SNHG12; SNORA44; SNORA16A
16964098	5,71	9,19	-11,21	0,002662	SCARNA22
17118732	3,68	7,15	-11,1	0,00674	SNORD74; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD76; SNORD77
17093722	7,76	11,23	-11,07	0,015454	RMRP; RP11-331F9.10
16810943	2,44	5,9	-11,03	0,000167	SCARNA14
17120596	5,28	8,75	-11,03	0,034568	MALAT1
16694357	5,71	9,17	-11,01	0,041224	SNORA80E
16664514	3,54	6,99	-10,87	0,032704	RNU4-61P
17121282	3,71	7,14	-10,78	0,00333	GOLGA8A; GOLGA8B; LOC101930583
17118650	2,5	5,91	-10,6	0,004667	SNORD55; RPS8; SNORD38B
17118692	2,88	6,27	-10,46	0,002649	SNORA44; SNHG12; SNORA61; SNORA16A
16763964	6,55	9,93	-10,41	0,045679	SNORA34; MIR1291
16795366	2,05	5,43	-10,38	0,003528	SNORA79

16822904	4,94	8,27	-10,08	0,01289	SNORA10; RPS2; SNORA64
16844046	5,06	8,31	-9,53	0,001069	SNORA21; RPL23
17119340	3,18	6,41	-9,39	0,009346	SNORA6; RPSA; SNORA62
16970074	4,39	7,61	-9,33	0,021364	SNORA24; SNHG8
16804031	1,56	4,78	-9,29	0,004914	SCARNA15; SNHG21; RP11-752G15.7
16990199	1,67	4,88	-9,28	0,029809	VTRNA1-1
17118778	5,06	8,27	-9,27	0,005382	SNORA52; RPLP2
17046526	3,4	6,59	-9,12	0,001474	SNORA15
17046588	3,4	6,59	-9,12	0,001474	SNORA15
16743322	4,2	7,38	-9,01	0,047966	SNORA8; TAF1D; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
16855182	2,36	5,51	-8,9	0,020934	SNORD58A; RPL17; SNORD58B; SNORD58C
16846359	6,18	9,33	-8,86	0,005586	RNU1-42P
17119458	6,82	9,95	-8,78	0,003954	SNORD95; GNB2L1; SNORD96A
17120600	5,93	9,04	-8,64	0,038268	MALAT1
16707882	2,72	5,83	-8,6	0,000256	RNU6-271P
16987992	3,97	7,01	-8,21	0,011627	SNORA13
16858120	7,9	10,93	-8,18	0,006513	SNORD105B
17118802	4,21	7,22	-8,08	0,010375	SNORD15A; RPS3
17078914	3,89	6,9	-8,06	0,006825	RNU6-925P
17118760	2,09	5,1	-8,04	0,004312	SNORD98; CCAR1
16864165	2,78	5,78	-8,01	0,002382	SNORD35B; RPS11
16766940	7,38	10,32	-7,66	0,02507	RNU1-83P
17119270	5,37	8,3	-7,6	0,004323	SNORA71E; SNHG11; SNORA60
16867229	2,52	5,43	-7,52	0,001111	SNORD37
17119358	1,11	4	-7,42	0,005596	SNORA4; EIF4A2; SNORA63; SNORD2; SNORA81; MIR1248
16907720	4,66	7,53	-7,34	0,001482	RNA5SP116
17119496	6,02	8,9	-7,34	0,03299	SNORD48
17119534	6,02	8,9	-7,34	0,03299	SNORD48
17119596	6,02	8,9	-7,34	0,03299	SNORD48
17126192	2,18	5,05	-7,3	0,025001	SNORD49B; SNORD49A; LRRC75A-AS1; SNORD65; C17orf76-AS1
17121284	3,27	6,13	-7,26	0,003138	GOLGA8A; GOLGA8B; LOC101930583
16988913	2,93	5,78	-7,18	0,004245	RNU6ATAC10P
17119730	1,43	4,27	-7,15	0,022233	SNORD36A; RPL7A; SNORD36B; SNORD24
17015472	4,5	7,3	-6,98	0,00128	SCARNA27
17119462	5,67	8,45	-6,91	0,040316	SNORD48
17099678	3,3	6,08	-6,88	0,014564	RNU6ATAC; RNU6ATAC2P
16726891	3,09	5,86	-6,83	0,027236	MALAT1
16983157	3,91	6,68	-6,82	0,043435	SNORD123
16950131	2,6	5,34	-6,69	0,001732	RNU6-858P
16996347	3,4	6,14	-6,67	0,013012	RNU6ATAC2P; RNU6ATAC
16919225	4,68	7,42	-6,65	0,027378	SNORA71A
16800297	6,13	8,86	-6,62	0,002037	RNU6-353P
16766279	1,54	4,24	-6,51	0,022667	SNORD59B

17046094	5,43	8,12	-6,45	0,006426	RNU1-14P
16696533	3,34	6	-6,35	0,010615	SNORD75
16707925	3,02	5,66	-6,25	0,00048	RNU6-1274P
16904022	7,4	10,02	-6,18	0,002082	RNU6-580P
16735734	6,54	9,14	-6,05	0,004053	MTRNR2L8; MIR4485
16737841	4,72	7,31	-6,01	0,017086	SNORD67
17118662	1,63	4,19	-5,91	0,043899	SNORD45C; RABGGTB; SNORD45B; SNORD45A
17118820	3,33	5,89	-5,89	0,007652	SNORD14B; RPS13; LOC100508408
17123154	3,55	6,1	-5,87	0,005358	TPM4; AC098614.2; GS1-44D20.1
16909411	2,12	4,66	-5,82	0,000093	RNY4P19
17027880	4,25	6,76	-5,68	0,019283	SNORA38
17033410	4,25	6,76	-5,68	0,019283	SNORA38
17038203	4,25	6,76	-5,68	0,019283	SNORA38
17040798	4,25	6,76	-5,68	0,019283	SNORA38
17119264	5,32	7,82	-5,66	0,004971	SNORD57; NOP56; SNORD86; SNORD110; MIR1292
17126262	3	5,47	-5,54	0,034212	NEAT1; MIR612
17022612	2,82	5,28	-5,51	0,001166	RNU6-906P
16793923	1,17	3,63	-5,5	0,00021	RNU2-14P
17065663	1,89	4,35	-5,48	0,000049	RNU6-729P
16743340	2,98	5,43	-5,47	0,000044	SNORD6; TAFID; SNORA8
17119064	1,32	3,75	-5,4	0,027043	SNORD65; SNORD49A; LRRC75A-AS1; SNORD49B; C17orf76-AS1
16684140	3,82	6,25	-5,38	0,001305	RNU6-176P
17122454	3,86	6,27	-5,32	0,021373	ANKRD36; ANKRD36B; ANKRD36C
16763095	2,89	5,28	-5,26	0,005292	RNA5SP359
17118834	1,54	3,9	-5,13	0,028814	SNORD28; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNORD22; SNHG1
17124640	4,04	6,39	-5,09	0,011716	TLK2; LOC101928451; TLK2P1; RP11-274B21.1
16961947	8,71	11,05	-5,06	0,003295	RNA5SP150
17057462	4,04	6,38	-5,06	0,006008	SNORA5C; TBRG4
16778731	1,77	4,11	-5,06	0,047225	SNORA31
17121462	2,41	4,75	-5,05	0,038235	SMG1; SMG1P1; SMG1P3; LOC101060596; LOC102723773; LOC102725125; BOLA2; LOC101060386; SLC7A5P1; LOC101060604; SMG1P5; SMG1P7; CTD-2547E10.2; RP11-645C24.2; RP11-231C14.3; RP11-347C12.2; RP11-345J4.8; RP11-296I10.6; NPIP4; LOC613037; NPIP5; NPIPA5; SMG1P2
16678516	6,79	9,12	-5,03	0,006379	RNA5SP19
16938579	2,18	4,5	-4,99	0,001688	RNA5SP127
17123152	3,6	5,9	-4,91	0,004371	TPM4; AC098614.2; GS1-44D20.1
16966210	4,56	6,84	-4,87	0,006765	RNU6-1112P
16713085	2,49	4,78	-4,87	0,04358	KIF5B
16682702	3,34	5,62	-4,86	0,000061	RNU6-1099P
16939281	2,32	4,58	-4,8	0,023736	RNU6-1227P
17119338	2,32	4,58	-4,8	0,023736	RNU6-1227P
16720878	4,97	7,22	-4,75	0,002623	RNU6-878P
16701324	3,53	5,77	-4,71	0,019101	HNRNPU

17006743	4,2	6,39	-4,57	0,01344	SNORA38
17121460	3,52	5,71	-4,56	0,046885	SMG1P1; SMG1P3; LOC102725125; NPIP4; LOC613037; NPIP5; NPIPA5; SLC7A5P1; LOC101060604; SMG1P5; CTD-2547E10.2; RP11-645C24.2; RP11-231C14.3; RP11-347C12.2; RP11-345J4.8; SMG1; SMG1P2; LOC101060596; BOLA2; LOC101060386; LOC102723773; SMG1P7; RP11-296I10.6
16773485	3,79	5,94	-4,45	0,00726	SNORD102; RPL21; SNORA27
16997843	4,45	6,59	-4,42	0,012093	RNU6-804P
16900737	3,29	5,42	-4,39	0,004549	ANKRD36B
17038309	4,37	6,5	-4,39	0,011815	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L
17116334	4,19	6,32	-4,38	0,000633	RNA5SP520; RNA5SP523
17117055	4,19	6,32	-4,38	0,000633	RNA5SP520; RNA5SP523
16838103	2,46	4,58	-4,34	0,008745	SNORD1A; SNORD1C; SNHG16
16703561	6,06	8,17	-4,33	0,008569	RNU6-1067P
17122280	3,6	5,71	-4,3	0,000445	LOC440895; LIMS3-LOC440895; LOC100507334; LOC100288570; LIMS3; AC013271.3; RP13-1039J1.2; AC108938.5; RP11-1223D19.1
17118848	1,7	3,79	-4,27	0,00255	SNORA25; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
17119818	1,37	3,44	-4,21	0,005184	SNORA69; RPL39
16874645	3,59	5,66	-4,18	0,000126	SNORD88C; C19orf48
16874641	5,85	7,91	-4,17	0,000796	SNORD88B; C19orf48; SNORD88C
16855322	2,89	4,95	-4,17	0,011916	RNU1-46P
17119798	3,8	5,85	-4,13	0,008545	SNORA70; RPL10
17026331	4,47	6,51	-4,11	0,016348	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L
17100899	5,26	7,29	-4,09	0,001917	RNA5SP174
16942367	4,42	6,44	-4,06	0,020503	RNA5SP134
16874373	2,89	4,91	-4,05	0,001645	RNU6-841P
16888104	6,28	8,3	-4,05	0,006741	RNU5E-9P
16919254	2,72	4,72	-4,02	0,006183	RNA5SP484
16688022	6,72	8,71	-3,98	0,015145	RNU6-371P
16706706	4,35	6,33	-3,96	0,020602	RNU6-441P
17009661	6,12	8,11	-3,95	0,017213	RNU1-136P
16815208	4,05	6,03	-3,94	0,002438	SRRM2
17045836	4,75	6,72	-3,92	0,001496	RNU6-326P
16893538	6,71	8,68	-3,92	0,008481	RNA5SP122
16854230	5,88	7,85	-3,92	0,008912	RNU6-702P
16744391	3,33	5,3	-3,92	0,018788	RNU6-893P
16825449	4,49	6,45	-3,9	0,028987	NPIP11; NPIP5; NPIP3; NPIP4; NPIPA5; LOC101929910; LOC613037; RP11-347C12.1; NPIP6; LOC101060275; NPIP8; NPIP9; CTB-134H23.2; RP11-231C14.4
16874643	6,35	8,27	-3,79	0,000344	SNORD88A
17061127	4,34	6,26	-3,78	0,002627	RASA4; RASA4B; POLR2J4; AC004985.12; RP11-514P8.6; RP11-514P8.8; RP5-1022I14.1; RP5-1165K10.2
17114581	2,83	4,75	-3,78	0,003011	RNU6-985P
17038297	5,03	6,94	-3,76	0,016702	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
17120680	2,64	4,55	-3,76	0,042858	NEAT1; MIR612
16729538	1,99	3,89	-3,75	0,003369	RNU6-544P
16836072	2,48	4,39	-3,75	0,007512	LUC7L3

17006881	4,59	6,49	-3,73	0,017848	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
17119332	6,22	8,11	-3,72	0,004369	SNORD43; RPL3; RNU86; SNORD83B
16726880	4,1	5,98	-3,69	0,035657	NEAT1; MIR612
16984903	2,76	4,64	-3,68	0,015451	RNA5SP183
17006863	4,73	6,6	-3,65	0,014127	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
17121456	3,21	5,07	-3,64	0,039446	SMG1; BOLA2; LOC101060386; SMG1P5; RP11-231C14.3; SMG1P1; SMG1P3; SMG1P7; NPIP4; LOC102725125; LOC613037; NPIPB5; NPIPA5; SLC7A5P1; LOC101060604; NPIP3; LOC101929910; CTD-2547E10.2; RP11-645C24.2; RP11-347C12.2; RP11-345I4.8; RP11-296I10.6
16842217	6,91	8,77	-3,62	0,034265	SNORD3D; RP11-160E2.6
16747336	4,92	6,77	-3,6	0,03873	SCARNA10
16919227	4,75	6,59	-3,6	0,041768	SNORA71C
17021385	2,45	4,29	-3,59	0,031087	SYNCRIP
16976131	6,46	8,3	-3,57	0,03968	RNA5SP361
16789955	5,21	7,04	-3,56	0,011799	RPPH1
16762470	3,72	5,55	-3,55	0,013042	BHLHE41
16780867	3,7	5,53	-3,55	0,021811	ARGLU1
17096326	5,45	7,27	-3,54	0,00295	RNU6-798P
16969646	5,11	6,93	-3,54	0,01789	RNU6-431P
17122204	1,99	3,81	-3,54	0,022792	ANKRD36; ANKRD36B; ANKRD36C; ANKRD36BP2
16784965	3,72	5,54	-3,53	0,006534	RNU6-398P
17028007	4,98	6,8	-3,53	0,016648	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L
17076203	3,34	5,15	-3,5	0,001342	RNU6-533P
16904972	3,89	5,7	-3,5	0,010118	RNU6-1006P
16947018	4,26	6,05	-3,46	0,013891	RNA5SP145
17026318	5,08	6,87	-3,45	0,019192	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
17027994	5,08	6,87	-3,45	0,019192	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
17030820	5,08	6,87	-3,45	0,019192	HSPA1A; HSPA1B; HSPA1L
17021162	2,71	4,49	-3,44	0,000561	RNU6-130P
17121352	3,53	5,31	-3,44	0,023897	SNX29; SNX29P2; SNX29P1; LOC101929304; AC007601.2
16678245	2,15	3,93	-3,42	0,012237	RNA5SP77
16732345	5,92	7,68	-3,4	0,027382	RNU6-1123P
16992094	2,85	4,61	-3,4	0,048042	RNU6-477P
17123390	4,65	6,4	-3,38	0,040618	HMGB1; HMGB1P5; HMGB1P1; CTCFL; HMGB1P4; HMGB1P9
17058731	3,27	5,02	-3,36	0,028742	GTF2I; GTF2IP1; LOC100093631; RP11-396K3.1
16858118	4,14	5,89	-3,35	0,008671	SNORD105
16711985	3,62	5,35	-3,33	0,038471	RNA5SP302
16835538	4,34	6,07	-3,3	0,014666	RNU6-826P
16662722	2,81	4,53	-3,29	0,016984	RNU6-753P
17030833	4,7	6,42	-3,29	0,029411	HSPA1B; HSPA1A; HSPA1L
17046886	3,18	4,89	-3,29	0,035624	GTF2I; GTF2IP1; LOC100093631; RP11-396K3.1
16877760	3,75	5,46	-3,28	0,00862	RNU6-936P
16989736	3,72	5,44	-3,28	0,013233	EGR1
16889627	1,08	2,79	-3,28	0,037824	SNORD70
16857913	2,86	4,57	-3,27	0,046768	HNRNPM

16780077	1,14	2,85	-3,26	0,004143	RNU6-61P
16969988	6,18	7,86	-3,22	0,025169	RNU1-138P
16811372	4,66	6,34	-3,22	0,043513	PKM
16808306	2,58	4,26	-3,2	0,003428	PIIP5K1; LOC100508782; AC011330.5
16810976	2,06	3,72	-3,17	0,030524	SNORD18A; RPL4; SNORD16; SNORD18B; SNORD18C
17102272	1,47	3,12	-3,14	0,001818	SCARNA23
16808555	7,04	8,69	-3,14	0,016118	RNU1-119P; RNU1-78P
16989815	5,33	6,97	-3,12	0,026504	RNU6-572P
16698405	4,19	5,82	-3,09	0,019039	RNA5SP74
16697299	2,64	4,26	-3,08	0,015849	TPR
17056031	3,17	4,78	-3,06	0,032599	HNRNPA2B1
16661587	5,45	7,06	-3,05	0,011028	RNU6ATAC27P
16816700	6,73	8,34	-3,05	0,025161	RNU6-1005P
16802696	7,92	9,53	-3,04	0,0344	RNA5SP399
16702455	2,43	4,03	-3,03	0,001515	RNU6-1095P
16698529	2,93	4,53	-3,03	0,028961	NUCKS1
16669437	3,7	5,29	-3,02	0,010793	HIST2H2BA
17088116	1,37	2,96	-3,02	0,01102	MIR4668
17047772	2,82	4,4	-2,99	0,004053	RNA5SP234
16925023	4,18	5,74	-2,95	0,045158	SNORA80A
17084256	2,23	3,79	-2,94	0,00184	RNU4ATAC15P
17004612	3,17	4,72	-2,94	0,005434	DSP
17001147	3,02	4,57	-2,94	0,049828	RN7SKP246
16685702	4,05	5,6	-2,93	0,004473	SNORA55
16818927	2,96	4,51	-2,92	0,011251	CHD9
16786587	4,41	5,96	-2,91	0,003316	FOS
17119802	3,7	5,24	-2,91	0,00744	DKC1; SNORA56; MIR664B
16834632	2,81	4,36	-2,91	0,009224	RNU6-971P
17016025	6,74	8,28	-2,9	0,022089	RNU6-801P
17051215	4,43	5,95	-2,87	0,01461	RNA5SP242
16722960	4	5,51	-2,85	0,001581	RNA5SP338
16698232	3,39	4,9	-2,85	0,015001	RNU6-487P
17124748	3,42	4,93	-2,84	0,015917	LOC493754; GS1-124K5.12
16817553	4	5,5	-2,83	0,007208	CTB-134H23.2; LOC613037; NPIP9; NPIPB8; NPIPB15; LOC101929910; NPIPB11; NPIPB6; NPIPB7; RP11-347C12.1; RP11-231C14.4; NPIPB3; NPIPB5; NPIPB4; LOC101060275; NPIPA5; PDXDC2P; RP11-166B2.1; RP11-419C5.2
16662296	2,11	3,61	-2,82	0,001774	RNA5SP42
16806936	4,42	5,91	-2,82	0,009626	GOLGA8A; GOLGA8B; LOC101930583
16806968	4,49	5,98	-2,81	0,012582	GOLGA8A; GOLGA8B; LOC101930583
16738174	3,03	4,52	-2,8	0,013394	FNBP4
16825699	5,47	6,96	-2,8	0,036836	LOC613037; LOC101929910; RP11-347C12.1; NPIPB3; NPIPB5; NPIPB4; LOC101060275; NPIPA5; NPIPB11; RP11-231C14.4; NPIPB6; NPIPB9; NPIPB8; RP11-166B2.1; CTB-134H23.2
16954608	9,03	10,51	-2,79	0,007139	RNA5SP132
16798242	2,32	3,8	-2,78	0,02604	SNORD116-30

16808330	3,17	4,64	-2,77	0,008949	PPIP5K1; LOC100508782; AC011330.5
16949907	1,41	2,88	-2,77	0,032237	LINC00969; SDHAP2
17046876	3,99	5,45	-2,76	0,016428	PMS2P1; PMS2L2; PMS2P8; RP11-313P13.3; RP11-313P13.4; DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P11; PMS2P5; PMS2P9; PMS2P4; PMS2P11; PMS2P6; LOC441259; PMS2
17058776	3,99	5,45	-2,76	0,016428	PMS2P1; PMS2L2; PMS2P8; RP11-313P13.3; RP11-313P13.4; DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P11; PMS2P5; PMS2P9; PMS2P4; PMS2P11; PMS2P6; LOC441259; PMS2
16667175	1,57	3,03	-2,75	0,004936	SNORA66; RPL5
16913737	3,38	4,83	-2,74	0,038326	TOP1
16766283	3	4,44	-2,73	0,048345	PTGES3
16788683	2,63	4,07	-2,72	0,000132	SNORD114-21
17121474	3,8	5,24	-2,72	0,003601	HERC2; HERC2P2; HERC2P3; LOC101929047; LOC101929832; HERC2P9; HERC2P5; HERC2P8; HERC2P4
17087682	1,82	3,26	-2,72	0,011388	RNU6-329P
16847393	4,32	5,76	-2,72	0,01599	SCARNA20
16973265	4,63	6,07	-2,71	0,00317	RNA5SP174
16854395	3,21	4,65	-2,71	0,036213	RNU6-1289P
16899758	9,93	11,37	-2,71	0,036843	RNU1-38P
17119236	9,93	11,37	-2,71	0,036843	RNU1-38P
16956557	2,54	3,97	-2,7	0,023725	RNU6-873P
16903419	2,23	3,65	-2,68	0,005651	RNU6-715P
16679567	3,68	5,1	-2,68	0,029084	RNU6-947P
16693976	4,36	5,77	-2,66	0,015948	MUC1
16852568	5,92	7,33	-2,66	0,036272	RNU6-742P
16994170	2,5	3,91	-2,66	0,037883	NSUN2
16858710	4,65	6,06	-2,65	0,022467	JUNB
16914704	3,04	4,45	-2,65	0,047683	DDX27
16971377	2,83	4,23	-2,63	0,01633	RNU6-1230P
16779757	1,5	2,89	-2,62	0,000078	RNU6-66P
16924143	3,34	4,73	-2,62	0,005207	KMT2C; BAGE2
16818588	4,54	5,93	-2,62	0,012322	RNA5SP419
16812243	4,33	5,71	-2,62	0,028837	RNU6-415P
17012781	4,92	6,31	-2,61	0,014434	RNA5SP218
16675636	1,59	2,97	-2,6	0,013705	RNU6-778P
16989054	2,9	4,28	-2,6	0,032419	RAD50
16798246	2,07	3,45	-2,59	0,017957	IPW; SNORD107; PWARSN; SNORD116-4; SNORD116-22; SNORD115-7; SNORD115-13; SNORD115-26; SNORD116-28; LOC101930404; SNRPN; SNHG14
16818522	4,35	5,71	-2,57	0,003855	RNA5-8SP2
17087933	3,13	4,49	-2,57	0,048001	RAD23B
16881293	2,38	3,74	-2,56	0,008456	ZNF638; ZNF638-IT1
16817363	4,48	5,83	-2,56	0,024863	EIF3C; EIF3CL
16868410	2,09	3,45	-2,56	0,02849	ZNF121
16741637	2,4	3,75	-2,55	0,004901	RNU6-292P

17121476	4,19	5,54	-2,55	0,00701	HERC2; HERC2P2; HERC2P3; LOC101929047; LOC101929832; HERC2P9; HERC2P5; HERC2P8; HERC2P4
16906335	5,22	6,57	-2,54	0,004558	RNA5SP114
17124564	2,43	3,77	-2,54	0,020652	LOC101929381; RP11-460N20.5; RP11-479O9.2
16880122	3,56	4,89	-2,52	0,005585	SPTBN1
16788663	2,97	4,3	-2,52	0,028954	SNORD114-14
16857315	3,36	4,7	-2,52	0,029135	SAFB
16983000	5,83	7,14	-2,48	0,042913	RNA5SP176
16830837	3,82	5,13	-2,48	0,046203	SCARNA21
17124534	2,61	3,92	-2,47	0,022411	LOC101929381; RP11-460N20.5; RP11-479O9.2
17120006	3,29	4,6	-2,47	0,033094	SEPT7P2; SEPT7P9; LOC645513; LOC101926980; RP11-33B1.1; LOC100287934; LOC101930657; RP11-206L10.9
16788665	3,5	4,81	-2,46	0,000698	SNORD114-15
17118652	1,35	2,66	-2,46	0,001252	SNORD38A
16825306	4,54	5,84	-2,46	0,024918	EIF3C; EIF3CL
16743296	1,82	3,11	-2,45	0,044523	TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
17116671	1,86	3,15	-2,44	0,000032	RNU6-1314P
16837230	3,26	4,55	-2,43	0,006376	BPTF
16817391	4,49	5,77	-2,43	0,008726	NPIP8; NPIP9; NPIP6; NPIP15; NPIP7; CTB-134H23.2
16889954	5,87	7,15	-2,43	0,009325	SNORD51
16675354	2,26	3,54	-2,43	0,025594	CDC73
16706818	1,84	3,11	-2,42	0,000052	RNU6-325P
17021922	2,3	3,58	-2,42	0,020298	PNISR
16946553	2,52	3,8	-2,42	0,023154	U2SURP
16712451	1,86	3,12	-2,39	0,002827	RNU6-306P
17113523	1,79	3,05	-2,38	0,039763	RNU6-1323P
16902921	1,5	2,74	-2,37	0,041181	RNA5-8SP5
16682904	3,36	4,6	-2,36	0,010458	HP1BP3
17053049	2,9	4,13	-2,35	0,011402	RNU6-650P
16774043	4,99	6,22	-2,35	0,013602	RNU6-71P
17045069	2,06	3,29	-2,35	0,019535	RNA5SP229
17119456	4,36	5,59	-2,35	0,02693	GNB2L1; SNORD95; SNORD96A
17125984	5,66	6,89	-2,34	0,01073	MIR4417
16695818	1,77	2,99	-2,33	0,00644	RNA5SP62
17106604	3,42	4,63	-2,32	0,049643	NDUFA1
17120706	1,99	3,2	-2,31	0,001892	PPFIBP1; LOC729222; RP11-582E3.4; ALK
16782001	3,91	5,12	-2,31	0,00398	TRDJ3; YME1L1
16824193	4,72	5,93	-2,31	0,032816	NPIPA3; NPIPA2; NPIPA5; NPIPA1; NPIPA7; LOC102724993; NPIPA8; PKD1P1; NPIP1; AC138969.4; RP11-1212A22.4; LOC399491; LOC101930075
17015987	2,93	4,14	-2,31	0,035542	DEK
16691877	6,91	8,12	-2,3	0,008206	RNU1-13P
16692446	6,91	8,12	-2,3	0,008206	RNU1-13P
17031209	3,17	4,37	-2,3	0,029708	BRD2
16878585	5,74	6,94	-2,29	0,000808	SNORD53

17072371	2,64	3,84	-2,29	0,008871	RNU6-628P
17120092	2,33	3,52	-2,29	0,009698	LINC01359; RP11-182I10.3
16788697	1,75	2,93	-2,28	0,000494	SNORD114-28
16722278	4,03	5,21	-2,28	0,002038	SPON1
17089735	3,91	5,1	-2,28	0,018705	SPTAN1
16676215	5,13	6,31	-2,27	0,000568	SNORA77
17058460	2,86	4,05	-2,27	0,01235	BAZ1B
16816406	4,27	5,45	-2,27	0,025494	RNU6-1340P
17116355	5,49	6,67	-2,26	0,019653	RNU1-41P; RNU1-48P
17117092	5,49	6,67	-2,26	0,019653	RNU1-41P; RNU1-48P
16802720	2,22	3,4	-2,26	0,019692	ARIH1
16781266	6,14	7,32	-2,26	0,035601	RNU1-16P
16742184	5,29	6,46	-2,25	0,012067	RNU6-216P
16824825	5,27	6,43	-2,25	0,025712	NPIP5; NPIP3; NPIP4; LOC613037; NPIPA5; LOC101929910; LOC101060275; NPIP11; NPIP8; NPIP9; RP11-347C12.1; RP11-231C14.4
16974873	2,82	3,99	-2,25	0,034625	DHX15
16832568	2,24	3,41	-2,25	0,043368	SNORD4B; RPL23A; SNORD42A
16788614	3,25	4,41	-2,24	0,000593	SNORD113-9
17114433	4,88	6,04	-2,23	0,002518	RNA5SP515
17095956	5,76	6,91	-2,23	0,008108	LOC101927993; RP11-274J16.5
16753895	3,32	4,48	-2,23	0,027534	CPSF6
16730965	5,12	6,28	-2,23	0,035019	RNU6-654P
17020930	2,53	3,69	-2,23	0,04663	TMEM30A
17052038	3,04	4,2	-2,22	0,000555	RNU6-223P
16827592	2,44	3,58	-2,21	0,02399	RNU6-1262P
17021004	3	4,14	-2,21	0,029125	PHIP
16942040	2,6	3,74	-2,2	0,011203	RNU6-483P
17098322	3,18	4,32	-2,2	0,048342	RPL35
16747394	4,28	5,41	-2,18	0,000362	PTMS
16812940	3,61	4,74	-2,18	0,005999	RNU6-185P
16713230	3,22	4,35	-2,18	0,016094	PARD3
17070949	2,39	3,51	-2,18	0,019654	ESRP1; RAF1
17115505	3,6	4,73	-2,18	0,035684	FLNA
16784365	4,17	5,29	-2,17	0,008813	RNU6ATAC9P
17124644	4,08	5,19	-2,16	0,03148	LOC101928451; RP11-274B21.1; LINC01347; LOC100288069; LOC101926901; LOC101926936; LOC101928344; LOC101928976; LOC101929540; LOC100134822; FAM157C; LOC101928670; LOC101929008; LOC101929038; LOC101930130; LOC101930567; LOC100132055; RP11-206L10.2; RP11-34P13.13; FAM157B; RP11-261C10.3
16858468	4,31	5,42	-2,16	0,031865	PRKCSH
17121692	3,53	4,64	-2,15	0,027615	AMZ2
17094874	3,72	4,83	-2,15	0,031381	RNA5SP285
16808334	3,21	4,32	-2,15	0,041958	PIIP5K1; AC011330.5
16808296	3,39	4,49	-2,14	0,004218	RNU6-354P; RNU6-610P
16808338	3,39	4,49	-2,14	0,004218	RNU6-354P; RNU6-610P
16746093	3,11	4,2	-2,14	0,028257	RNU6-876P

16896442	2,06	3,16	-2,14	0,041476	EIF2AK2
17097144	4,01	5,1	-2,13	0,001811	RNY4P18
16950171	2,19	3,29	-2,13	0,004115	RNU6-621P
16860746	2,58	3,67	-2,13	0,027192	UBA2
16970894	2,05	3,14	-2,13	0,027393	RNU6-1214P
17085779	2,5	3,59	-2,13	0,037143	SMC5
16856257	3,7	4,79	-2,13	0,048326	PTBP1; MIR4745
16730503	3,34	4,43	-2,12	0,001865	YAP1
16739276	5	6,09	-2,12	0,010273	MIR3654; EIF1G; RP11-86414.1
17120382	4,32	5,4	-2,12	0,019482	LOC100134822; FAM157C; LOC101928670; LOC101929008; LOC101929038; LOC101930130; LOC101930567; LOC100132055; RP11-34P13.13; FAM157B
16938935	2,74	3,82	-2,12	0,020395	GOLGA4
16786133	3,14	4,22	-2,12	0,025431	RBM25
17114723	2,82	3,9	-2,12	0,04391	SPANXC; SPANXD
16966895	2,09	3,17	-2,11	0,000634	RNU6-746P
16677612	2,57	3,65	-2,11	0,005062	RNA5SP76
16805230	2,95	4,03	-2,11	0,020814	CHD2
16881061	1,48	2,55	-2,1	0,000442	RNU6-1216P
16750254	1,64	2,7	-2,09	0,000205	RNU6-249P
16976653	4,06	5,12	-2,09	0,006622	RNU6-784P
16692209	4,87	5,93	-2,09	0,030383	NBPF11; NBPF12; NBPF10; NBPF9; NBPF14; NBPF8; NBPF15; NBPF20; NBPF1; NBPF25P; LOC102724250; NBPF23; NBPF26; RP11-458D21.5; NBPF19
16870200	2,85	3,92	-2,09	0,03634	BST2
17089622	2,81	3,87	-2,09	0,044672	TMSB4XP4
16939836	4,09	5,15	-2,08	0,011475	RNU6-367P
17119342	4,09	5,15	-2,08	0,011475	RNU6-367P
17121348	4,5	5,56	-2,08	0,012656	PKD1P5; LOC399491; RP11-958N24.2; PKD1; PKD1P1; LOC101060429; LOC101930075; NPIPA1; NPIPA3; NPIPA2; NPIPA7; NPIPA8; NPIPA5; RP11-1212A22.1; RP11-958N24.1; AC138969.4
16983927	3,17	4,22	-2,08	0,012828	DNAJC21
16980970	3,46	4,51	-2,08	0,017152	RNU6-582P
16850264	3,66	4,72	-2,08	0,037834	WDR45B
16985852	2,85	3,91	-2,08	0,047054	BDP1
16827764	3,4	4,45	-2,07	0,003586	AARS
16705399	3	4,05	-2,07	0,01566	CCAR1
16849576	4,52	5,57	-2,07	0,020974	LGALS3BP
16809403	2,65	3,7	-2,06	0,002134	MYO5C
16832658	2,56	3,6	-2,06	0,0142	TAOK1
16798222	2,02	3,06	-2,06	0,024522	SNORD116-25
16939558	2,88	3,92	-2,05	0,040753	CTNNB1
17122448	1,73	2,75	-2,04	0,014254	ANKRD36B; ANKRD36; ANKRD36BP2
16977340	3,1	4,13	-2,04	0,01436	HNRNP
16787530	3,59	4,62	-2,04	0,018119	SNORA11B
17125752	1,33	2,35	-2,03	0,006091	LOC102723951; UBE2Q2P2; AC023274.4; AC007562.1
17124276	3,09	4,11	-2,03	0,006277	RP11-554D15.3

16959206	1,59	2,61	-2,03	0,009361	SNORA58
17077824	4,89	5,91	-2,03	0,028026	RNU6-1324P
16914741	1,44	2,46	-2,03	0,042678	SNORD12C
16985794	2,19	3,21	-2,03	0,047671	GTF2H2C_2; GTF2H2C; GTF2H2; GTF2H2B; GTF2H2D
16888610	3,69	4,71	-2,02	0,000885	COL3A1
17115996	4,78	5,79	-2,02	0,007946	KRT18P10
16933623	3,11	4,12	-2,02	0,022552	SNORD125; MIR3653
17060143	3,27	4,28	-2,01	0,012883	BAIAP2L1
16664731	3,06	4,07	-2,01	0,041459	PRPF38A
17076259	5,22	4,21	2,01	0,007502	RP11-150O12.4
16982744	4,59	3,58	2,01	0,030875	CTD-2194D22.1
17124338	3,14	2,14	2,01	0,035714	LPAL2
16818590	4,21	3,19	2,04	0,005926	RNA5SP420
16832307	3,95	2,92	2,04	0,038089	FAM27L
17028028	5,72	4,69	2,05	0,001866	C6orf48
16692577	3,48	2,44	2,06	0,017	FCGR1B; RP11-196G18.3; RP5-998N21.4; RP11-439A17.9
17044298	4,3	3,25	2,07	0,008299	RNU7-143P
16874187	5,21	4,15	2,08	0,029036	CGB; CGB5; CGB8; CGB1
17123810	4,33	3,27	2,08	0,047303	LINC01088; RP11-438E5.1
17123020	4,21	3,13	2,11	0,047487	LA16c-83F12.6
17125378	3,21	2,13	2,12	0,037389	LOC101928381; RP11-15J10.8; RP11-250H24.6; RP11-460E7.9; RP11-350D23.4
16658097	5,41	4,32	2,12	0,048525	RP3-395M20.7
16798553	3,18	2,09	2,13	0,01704	MIR4509-1; MIR4509-2; MIR4509-3
16805940	3,18	2,09	2,13	0,01704	MIR4509-1; MIR4509-2; MIR4509-3
16806388	3,18	2,09	2,13	0,01704	MIR4509-1; MIR4509-2; MIR4509-3
17085991	3,43	2,34	2,13	0,042673	RNU6-1228P
17103647	3,95	2,86	2,13	0,046907	GAGE12F; GAGE12J; GAGE2D; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE2B; GAGE13; GAGE12E; GAGE12D; GAGE2E; GAGE2A; GAGE2C; GAGE4; GAGE12I; GAGE8; GAGE12B; GAGE5; GAGE6; GAGE7; GAGE1; GAGE3; GAGE10
16927578	2,97	1,87	2,14	0,02778	KB-1183D5.14
17126098	3,69	2,59	2,14	0,035285	C2orf27A; C2orf27B
16842264	5,63	4,52	2,16	0,01847	MIR1180
17103655	4,02	2,91	2,16	0,028933	GAGE12F; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE12E; GAGE12D; GAGE12B; GAGE7; GAGE12I; GAGE2A; GAGE1; GAGE12J; GAGE2D; GAGE2B; GAGE13; GAGE2E; GAGE2C; GAGE4; GAGE5; GAGE8; GAGE6; GAGE3
17103661	4,02	2,91	2,16	0,028933	GAGE12F; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE12E; GAGE12D; GAGE12B; GAGE7; GAGE12I; GAGE2A; GAGE1; GAGE12J; GAGE2D; GAGE2B; GAGE13; GAGE2E; GAGE2C; GAGE4; GAGE5; GAGE8; GAGE6; GAGE3
17103667	4,02	2,91	2,16	0,028933	GAGE12F; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE12E; GAGE12D; GAGE12B; GAGE7; GAGE12I; GAGE2A; GAGE1; GAGE12J; GAGE2D; GAGE2B; GAGE13; GAGE2E; GAGE2C; GAGE4; GAGE5; GAGE8; GAGE6; GAGE3
17098533	3,01	1,9	2,17	0,012409	MIR3911
17094237	3,54	2,42	2,17	0,022466	RP11-216M21.7
17119780	4,78	3,66	2,17	0,024155	MIR1587
17119276	7,04	5,92	2,17	0,025008	MIR4533

16674269	4,86	3,74	2,18	0,00205	TEX35
16680962	5,24	4,11	2,19	0,045313	MIR4689
17016296	3,68	2,54	2,21	0,009564	HIST1H2AA
17125350	3,98	2,84	2,21	0,036248	LOC101928381; RP11-15J10.8; RP11-460E7.9; RP11-350D23.4
17125354	3,98	2,84	2,21	0,036248	LOC101928381; RP11-15J10.8; RP11-460E7.9; RP11-350D23.4
17001256	3,68	2,53	2,22	0,001487	PPP2R2B; RNA5SP196
17052622	5,58	4,43	2,22	0,011022	TRBV23-1
16664579	3,46	2,31	2,23	0,022367	MIR4421
17020960	3,63	2,47	2,23	0,029261	RNU6-155P
17119090	5,06	3,88	2,25	0,014218	MIR4730
16915528	6,79	5,62	2,25	0,03486	MIR4533
16685253	4,42	3,23	2,29	0,007173	RNU4-27P
16926765	5,64	4,44	2,29	0,039415	LOC100508046; POTEH-AS1; LOC101929572
16728986	3,74	2,52	2,32	0,029548	MIR548AL
16688792	2,53	1,32	2,33	0,001302	RNA5SP22
16802160	3,93	2,71	2,33	0,010774	MIR4311
17121262	3,36	2,14	2,33	0,040205	GOLGA8J
16842832	6,53	5,3	2,34	0,005048	MIR4732; MIR144; MIR451A; MIR451B; RP11-20B24.2
16792454	3,86	2,64	2,34	0,023177	MIR548Y
17103750	4,9	3,66	2,35	0,002968	MIR500B
16946532	4,98	3,74	2,35	0,006468	RNU7-47P
17125254	3,37	2,13	2,35	0,013271	LOC101929959; BMS1P20
17121144	4,07	2,82	2,37	0,037473	LOC100996379; LOC102723534
16900166	5,39	4,14	2,37	0,048727	IGKV1D-33; IGKV1-33; IGKC; IGKV1D-17; IGKV1-27; IGKV1D-32; IGKV1-32; IGKV1D-27
16882726	5,46	4,2	2,4	0,047531	IGKV1D-33; IGKV1-33; IGKV1D-17; IGKV1-27; IGKV1D-32; IGKV1-32; IGKV1D-27; IGKC
16719903	6,07	4,8	2,41	0,003895	MIR3944
17099695	6,47	5,19	2,42	0,03992	MIR3689A
17120314	3,51	2,24	2,42	0,040142	LOC102725076; FLJ43315
16921464	4,63	3,33	2,46	0,036547	LOC644450
17079513	3,83	2,52	2,48	0,007772	RNU6-748P
16927283	4,14	2,83	2,48	0,027406	KB-1183D5.14; KB-1592A4.14; USP41
16826077	3,18	1,87	2,48	0,032042	LOC102725458
17020748	6,63	5,29	2,52	0,003017	RP11-257K9.8
17026034	3,36	2,03	2,53	0,03718	XX-C2158C6.3
16839692	3,24	1,88	2,57	0,029117	OR1E2
16692553	8,5	7,12	2,6	0,045833	NBPF20
17118068	4,96	3,56	2,64	0,015436	LOC441081; LOC101929573; LOC101060368; LOC101929599; LOC101929812; LOC728093; LOC101928967; LOC101929545; RP11-98J23.1; RP11-589F5.3; RP11-497H16.6; RP11-848G14.5; RP11-124L9.3; RP11-124L9.4; RP11-1305N21.2
17099699	6,11	4,68	2,69	0,011146	MIR3689B
16849744	4,79	3,37	2,69	0,041519	MIR1250
16756158	6,66	5,21	2,72	0,002906	RNA5SP370

16767979	3,23	1,75	2,79	0,030934	RNU7-106P
16942552	5,19	3,7	2,8	0,003651	RNA5SP135
16918169	4,06	2,56	2,82	0,010234	RP4-760C5.3
17125264	5,32	3,8	2,87	0,013528	LOC101929959
17120310	3,1	1,57	2,88	0,009426	LOC102725076; LOC102723382
17084704	4,49	2,95	2,91	0,003742	RP11-331F9.3
17012839	3,64	2,07	2,95	0,022145	MIR548A2
16743554	6,4	4,82	2,99	0,007104	RNA5SP346
17118054	6,48	4,9	2,99	0,007869	RP11-432M8.12
17118088	5,94	4,35	3,01	0,01135	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
16841689	3,64	2,04	3,04	0,003789	AC005324.7
16691969	4,06	2,45	3,05	0,03667	RP4-791M13.3
17118050	5,97	4,33	3,11	0,008905	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
17118090	5,97	4,33	3,11	0,008905	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
17118092	5,97	4,33	3,11	0,008905	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
17118086	6,02	4,34	3,2	0,009461	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
16704473	4,06	2,35	3,27	0,007526	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
16704658	4,06	2,35	3,27	0,007526	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
16713858	4,06	2,35	3,27	0,007526	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
16704438	4,08	2,36	3,29	0,009821	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
16704648	4,08	2,36	3,29	0,009821	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
16714284	4,08	2,36	3,29	0,009821	RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312; RNA5SP310
17082935	4,62	2,87	3,36	0,045326	ZNF250
17118058	5,43	3,67	3,38	0,014032	LOC441081; LOC101929573; LOC101060368; LOC101929599; LOC101929812; LOC728093; LOC101928967; LOC101929545; RP11-98J23.1; RP11-497H16.2; RP11-589F5.3; RP11-497H16.6; RP11-848G14.5; RP11-124L9.3; RP11-124L9.4; RP11-1305N21.2
17118066	5,43	3,67	3,38	0,014032	LOC441081; LOC101929573; LOC101060368; LOC101929599; LOC101929812; LOC728093; LOC101928967; LOC101929545; RP11-98J23.1; RP11-497H16.2; RP11-589F5.3; RP11-497H16.6; RP11-848G14.5; RP11-124L9.3; RP11-124L9.4; RP11-1305N21.2
17118104	5,43	3,67	3,38	0,014032	LOC441081; LOC101929573; LOC101060368; LOC101929599; LOC101929812; LOC728093; LOC101928967; LOC101929545; RP11-98J23.1; RP11-497H16.2; RP11-589F5.3; RP11-497H16.6; RP11-848G14.5; RP11-124L9.3; RP11-124L9.4; RP11-1305N21.2
17118127	5,43	3,67	3,38	0,014032	LOC441081; LOC101929573; LOC101060368; LOC101929599; LOC101929812; LOC728093; LOC101928967; LOC101929545; RP11-98J23.1; RP11-497H16.2; RP11-589F5.3; RP11-497H16.6; RP11-848G14.5; RP11-124L9.3; RP11-124L9.4; RP11-1305N21.2

17100951	4,29	2,42	3,66	0,01602	DUX4; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC100288289
16704436	4,14	2,2	3,86	0,009625	RNA5SP310; RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312
16704842	4,14	2,2	3,86	0,009625	RNA5SP310; RNA5SP317; RNA5SP311; RNA5SP315; RNA5SP312
16973278	6,68	4,71	3,93	0,042248	DUX4; DBET; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; LOC100288289; DUX4L4; DUX4L26; DUX4L24; DUX4L9; DUX4L13; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; RP11-413E6.7; DUXAP9; DUX4L11
16973287	6,68	4,71	3,93	0,042248	DUX4; DBET; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; LOC100288289; DUX4L4; DUX4L26; DUX4L24; DUX4L9; DUX4L13; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; RP11-413E6.7; DUXAP9; DUX4L11
16973283	7,04	5,03	4,05	0,040105	DBET; DUX4; DUX4L24; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; DUX4L13; LOC100288289; DUX4L4; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; DUX4L11
16816018	4,59	2,56	4,07	0,010321	MIR365A
16973271	6,97	4,94	4,09	0,032755	DBET; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; LOC100288289; DUX4L4; DUX4; DUX4L24; DUX4L13; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; DUX4L11
16705437	5,14	2,89	4,76	0,032169	MIR1254-1
17121898	4,92	2,58	5,06	0,02001	LOC101929826
17081297	6,87	4,5	5,19	0,005805	OC90; RP11-240B13.2
17094496	6,83	4,37	5,52	0,020973	MIR1299
16702759	6,64	4,16	5,57	0,002446	RNU2-18P
17103653	4,92	2,44	5,61	0,00687	GAGE12F; GAGE12I; GAGE2D; GAGE12C; GAGE12G; GAGE12H; GAGE13; GAGE10; GAGE12E; GAGE12D; GAGE2E; GAGE2A; GAGE2C; GAGE5; GAGE6; GAGE12I; GAGE8; GAGE12B; GAGE4; GAGE7; GAGE3; GAGE2B; LOC102724400; PPP1R3F
16965027	6,48	3,99	5,64	0,016515	USP17L5
16950539	7,72	4,91	7,02	0,03734	LOC101930660; RP11-380O24.1
16965011	6,66	3,76	7,5	0,00849	USP17L15; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L6P; USP17L10; USP17L13; USP17L14P; USP17L16P; USP17L17; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P
16965002	6,46	3,53	7,61	0,007067	USP17L15; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L6P; USP17L10; USP17L13; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23
16965015	6,46	3,53	7,61	0,007067	USP17L15; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L6P; USP17L10; USP17L13; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23
16965004	5,31	2,38	7,62	0,002352	USP17L15; USP17L13
16823889	6,77	3,82	7,77	0,016872	MIR548H2
16965021	6,49	3,51	7,9	0,006296	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L16P; USP17L17; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; LOC649352; RP11-35I121.6

16965023	6,49	3,51	7,9	0,006296	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L16P; USP17L17; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; LOC649352; RP11-351I21.6
16965025	6,49	3,51	7,9	0,006296	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L16P; USP17L17; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; LOC649352; RP11-351I21.6
16965029	6,49	3,51	7,9	0,006296	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L16P; USP17L17; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; LOC649352; RP11-351I21.6
16965031	6,49	3,51	7,9	0,006296	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L16P; USP17L17; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; LOC649352; RP11-351I21.6
16965033	6,49	3,51	7,9	0,006296	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L16P; USP17L17; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; LOC649352; RP11-351I21.6
16965037	6,49	3,51	7,9	0,006296	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L16P; USP17L17; USP17L3; USP17L8; USP17L4; USP17L2; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; LOC649352; RP11-351I21.6
17100810	6	2,98	8,08	0,02197	LOC100507412
16737017	8,36	5,34	8,12	0,036462	DCDC1; DCDC5
16965039	6,54	3,51	8,14	0,004921	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L13; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965009	6,64	3,61	8,22	0,006999	USP17L15; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L20; USP17L21; USP17L5; USP17L22; USP17L19; USP17L6P; USP17L10; USP17L13; USP17L14P; USP17L16P; USP17L17; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965000	6,71	3,64	8,39	0,006689	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965013	6,76	3,69	8,4	0,006108	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16965007	6,45	3,35	8,56	0,004883	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L13; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.7; RP11-351I21.6
17123694	6,43	3,32	8,65	0,016733	ZNF595

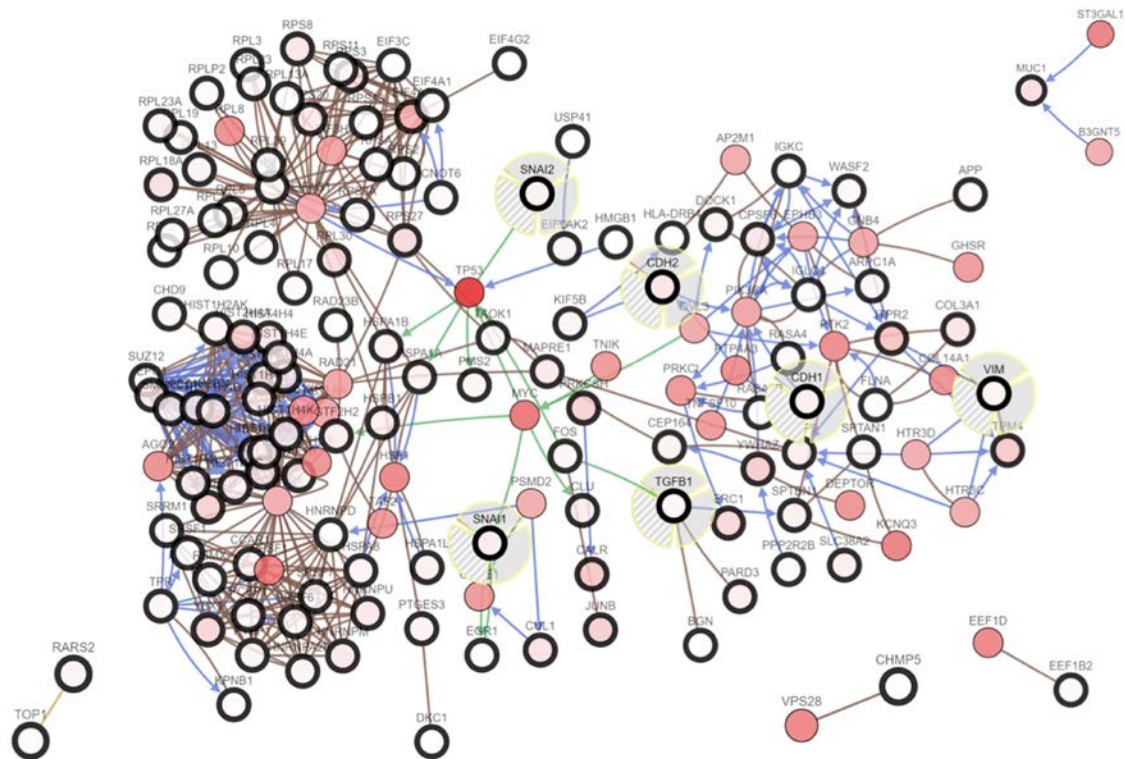
16965017	6.75	3.56	9.14	0.005749	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16850428	7.05	2.47	23.89	0.008086	ROCK1P1

Supplementary Table 4. Transcript ID and gene name list mentioned in heatmaps

Transcript Cluster ID	GeneSymbol
16822256	LOC101929008; LOC101929038; LOC101930130; LOC101930567; FAM157C; LOC729737; LOC101928706; LOC101929823; LOC388572; LOC101060494; LOC101926894; LOC101930127; LOC100134822; RP4-669L17.10; RP11-304M2.2; LOC101929819; LOC441124; RP11-34P13.14; RP11-504P24.8
16842832	MIR4732; MIR144; MIR451A; MIR451B; RP11-20B24.2
16873645	SNAR-C2; SNAR-C4; SNAR-C5; SNAR-C1; SNAR-C3; SNAR-B2; SNAR-B1; SNAR-E; MCAM
16900166	IGKV1D-33; IGKV1-33; IGKC; IGKV1D-17; IGKV1-27; IGKV1D-32; IGKV1-32; IGKV1D-27
16926765	LOC100508046; POTEH-AS1; LOC101929572
16965000	USP17L15; USP17L6P; USP17L9P; USP17L12; USP17L11; USP17L24; USP17L25; USP17L26; USP17L27; USP17L28; USP17L29; USP17L30; USP17L18; USP17L14P; USP17L20; USP17L21; USP17L16P; USP17L5; USP17L22; USP17L17; USP17L19; USP17L10; USP17L13; USP17L2; USP17L3; USP17L8; USP17L4; LOC101930650; USP17L7; USP17L1P; USP17L23; LOC649352; RP11-351I21.6
16973271	DBET; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; LOC100288289; DUX4L4; DUX4; DUX4L24; DUX4L13; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; DUX4L11
16973278	DUX4; DBET; DUX4L1; DUX4L8; DUX4L7; DUX4L6; DUX4L5; DUX4L3; DUX4L2; LOC652301; LOC100291626; LOC100288289; DUX4L4; DUX4L26; DUX4L24; DUX4L9; DUX4L13; DUX4L10; DUX4L12; DUX4L14; DUX4L15; RP11-413E6.7; DUXAP9; DUX4L11
17060989	RASA4; RASA4B; RASA4CP; LOC102725198; RP11-514P8.6; RP11-514P8.8; RASA4DP
17070478	REXO1L2P; LOC101929601; LOC101930111; REXO1L1P; LOC100288562; LOC101929627; REXO1L12P; REXO1L9P; REXO1L8P; REXO1L3P; REXO1L1; REXO1L10P
17070480	LOC101929601; LOC101930111; REXO1L1P; LOC100288562; LOC101929627; REXO1L12P; REXO1L9P; REXO1L8P; REXO1L2P; REXO1L3P; REXO1L1; REXO1L10P
17118050	RP11-432M8.3; RP11-432M8.4; RP11-432M8.5; RP11-432M8.2; RP11-321E2.2; RP11-321E2.7; RP11-321E2.9; RP11-321E2.8
17118654	SNORD38B; RPS8; SNORD55
17118726	SNORD44; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; GAS5; SNORD74; SNORD76; SNORD77
17118730	SNORD76; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47;

	SNORD44; GAS5; SNORD74; SNORD77
17118732	SNORD74; SNORD81; SNORD79; SNORD80; SNORD47; SNORD44; GAS5; SNORD76; SNORD77
17118826	SNORD22; SNORD29; SNORD31; SNORD30; SNORD28; SNORD27; SNORD26; SNORD25; SNHG1
17118854	SNORD5; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA18; SNORA40; SNORA32; MIR1304
17118856	SNORA18; TAF1D; SNORA8; SNORA1; SNORA40; SNORA32; SNORD5; MIR1304
17119068	SNORD42B; CEP164; RPL23A; SNORD42A
17119144	SNORD32A; RPL13A; SNORD35A; SNORD34; SNORD33
17119732	SNORD36C; RPL7A; SNORD36B; SNORD36A; SNORD24
17120158	ANKRD20A9P; LOC102723382; LOC102723891
17121434	LOC388210; LOC400499; CTD-3088G3.8

Supplementary figure 1



Supplementary figure 2

